

H27年度 NGSハンズオン講習会カリキュラム

実施日	実施時間	大項目	項目番号および項目	レベル	習得技術	担当講師 (敬称略)			
7月22日 (水)	10:30-12:00	PC環境の構築	Bio-Linux8とRのインストール状況確認		<ul style="list-style-type: none"> Linux導入 R導入 NGS解析に必要な環境構築技術 	門田幸二 (東京大学) 寺田 透 (東京大学)			
	13:15-14:45								
	15:00-16:30								
	16:45-18:15								
7月23日 (木)	10:30-12:00	UNIX/Linuxとスクリプト言語	Linux基礎	初級	UNIXの基礎の理解	門田幸二 (東京大学)			
	13:15-14:45			中級					
	15:00-16:30		中級	シェルスクリプト	服部恵美 (アメリエフ)				
	16:45-18:15								
7月24日 (金)	10:30-12:00						スクリプト言語	中級	Perl
	13:15-14:45								
	15:00-16:30								
	16:45-18:15								
7月27日 (月)	10:30-12:00	中級	Python						
	13:15-14:45								
	15:00-16:30								
	16:45-18:15								
7月28日 (火)	10:30-12:00	データ解析環境R	R基礎 1	初級	R言語の基礎 (インストールから利用まで)	門田幸二 (東京大学)			
	13:15-14:45		R基礎 2	初級	<ul style="list-style-type: none"> ファイルの読み込み 行列演算の基本 				
	15:00-16:30		R各種パッケージ	中級	パッケージのインストール法と代表的なパッケージの利用法				
	16:45-18:15		Bioconductorの利用法 1	中級	データの型やバージョンの違い				
7月29日 (水)	10:30-12:00	中級	Bioconductorの利用法 2	中級	FASTA/FASTQファイルの各種解析				
	13:15-14:45								
	15:00-16:30								
	16:45-18:15								
7月30日 (木)	10:30-12:00	NGS解析[A日程]	NGS解析基礎	初級	<ul style="list-style-type: none"> ファイル形式 可視化 (IGV) quality check マッピング アセンブル 	山口昌雄 (アメリエフ)			
	13:15-14:45								
	15:00-16:30								
	16:45-18:15								
8月3日 (月)	10:30-12:00	ゲノムReseq、変異解析	ゲノムReseq、変異解析	初級	代表的なパイプラインについての実習：ゲノムReseq、変異解析	山口昌雄 (アメリエフ)			
	13:15-14:45								
	15:00-16:30								
	16:45-18:15								
8月4日 (火)	10:30-12:00	RNA-seq	RNA-seq	初級	代表的なパイプラインについての実習：RNA-seq、マッピングから定量化まで	山口昌雄 (アメリエフ)			
	13:15-14:45				代表的なパイプラインについての実習：RNA-seq、カウントデータ取得以降の統計解析				
	15:00-16:30				初級	代表的なパイプラインについての実習：ChIP-seq、及び統合解析	森岡勝樹 (理化学研究所)		
	16:45-18:15								
8月5日 (水)	10:30-12:00	ChIP-seq	ChIP-seq	初級	代表的なパイプラインについての実習：ChIP-seq、及び統合解析				
	13:15-14:45								
	15:00-16:30								
	16:45-18:15								
8月6日 (木)	10:30-12:00	NGS解析基礎	NGS解析基礎	初級	<ul style="list-style-type: none"> ファイル形式 可視化 (IGV) quality check マッピング アセンブル 	山口昌雄 (アメリエフ)			
	13:15-14:45								
	15:00-16:30								
	16:45-18:15								
8月26日 (水)	10:30-12:00	ゲノムReseq、変異解析	ゲノムReseq、変異解析	初級	代表的なパイプラインについての実習：ゲノムReseq、変異解析	山口昌雄 (アメリエフ)			
	13:15-14:45								
	15:00-16:30								
	16:45-18:15								
8月27日 (木)	10:30-12:00	RNA-seq	RNA-seq	初級	代表的なパイプラインについての実習：RNA-seq、マッピングから定量化まで	山口昌雄 (アメリエフ)			
	13:15-14:45				代表的なパイプラインについての実習：RNA-seq、カウントデータ取得以降の統計解析				
	15:00-16:30				初級	代表的なパイプラインについての実習：RNA-seq、カウントデータ取得以降の統計解析	門田幸二 (東京大学)		
	16:45-18:15								