

平成27年度 NGSハンズオン講習会 Linux基礎 (7月23日) 講義資料

資料名	ファイル名	ハンズオンメモ
講義資料	Linux基礎(PDF:9.59MB)	
Bio-Linux	http://environmentalomics.org/bio-linux/	
Field et al., Nat Biotechnol., 2006	Open software for biologists: from famine to feast	
テストデータ	amelieff.zip(37.6MB)	wget -c http://www.iu.a.u-tokyo.ac.jp/~kadota/bioinfo_ngs_sokushu_2015/amelieff.zip
IGV	http://www.broadinstitute.org/igv/	wget -c http://data.broadinstitute.org/igv/projects/downloads/IGV_2.3.57.zip
Thorvaldsdóttir et al., Brief. Bioinform., 2013	Integrative Genomics Viewer (IGV)	
FastQC	http://www.bioinformatics.babraham.ac.uk/projects/fastqc/	JSLAB4_2_Linux2.sh (Linuxの改行コード; LF) [W7-8のちょっと改変版] wget -c http://www.iu.a.u-tokyo.ac.jp/~kadota/book/JSLAB4_2_Linux2.sh 中身は以下のもの： #wget -c ftp://ftp.ddbj.nig.ac.jp/ddbj_database/dra/fastq/SRA061/SRA061483/SRX204226/SRR616268_1.fastq.bz2 #wget -c ftp://ftp.ddbj.nig.ac.jp/ddbj_database/dra/fastq/SRA061/SRA061483/SRX204226/SRR616268_2.fastq.bz2 #bzip2 -dc SRR616268_1.fastq.bz2 head -n 4000000 gzip > SRR616268sub_1.fastq.gz #bzip2 -dc SRR616268_2.fastq.bz2 head -n 4000000 gzip > SRR616268sub_2.fastq.gz fastqc -q SRR616268sub_1.fastq.gz fastqc -q SRR616268sub_2.fastq.gz
GATK(ver. 1.6-13)	https://www.broadinstitute.org/gatk/	
McKenna et al., Genome Res., 2010	The Genome Analysis Toolkit	sudo cp GenomeAnalysisTK-1.6-13-g91f02df.tar.bz2 /usr/local/src sudo chmod 755 GenomeAnalysisTK-1.6-13-g91f02df.tar.bz2 sudo bzip2 -dc GenomeAnalysisTK-1.6-13-g91f02df.tar.bz2 sudo tar xvf -