

今日から使える便利な生命科学系公共データベース in DBCLS

小野 浩雅

大学共同利用機関法人 情報・システム研究機構 データサイエンス共同利用基盤施設
ライフサイエンス統合データベースセンター(DBCLS)

小野 浩雅 Hiromasa Ono

hono@dbcls.rois.ac.jp

https://twitter.com/h_ono

2005年 日本大学 生物資源科学部 動物資源科学科 卒業

2010年 日本大学大学院 生物資源科学研究科 博士後期課程 単位取得退学

2010年 ライフサイエンス統合データベースセンター(DBCLS) 特任技術専門員

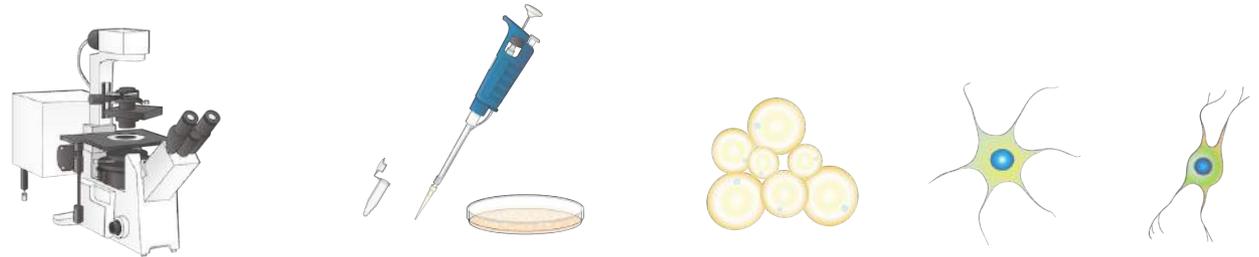
2011年7月 日本大学 博士 (生物資源科学) 取得

2012年6月より 同 特任助教

34歳。週末は、競走馬の運動生理学および統計遺伝学のアマチュア研究

学部

ブタ成熟脂肪細胞に由来する前駆脂肪細胞(DFAT-P)の神経細胞への分化転換に関する研究



修士

ブタ成熟脂肪細胞および顆粒膜細胞における脱分化機構の網羅的解析

博士

ブタ成熟脂肪細胞および卵胞顆粒層細胞における脱分化ならびに多能性獲得機構の網羅的解析



編集者@統合TV

生命科学分野の有用なDBやウェブツールの活用法を動画で紹介

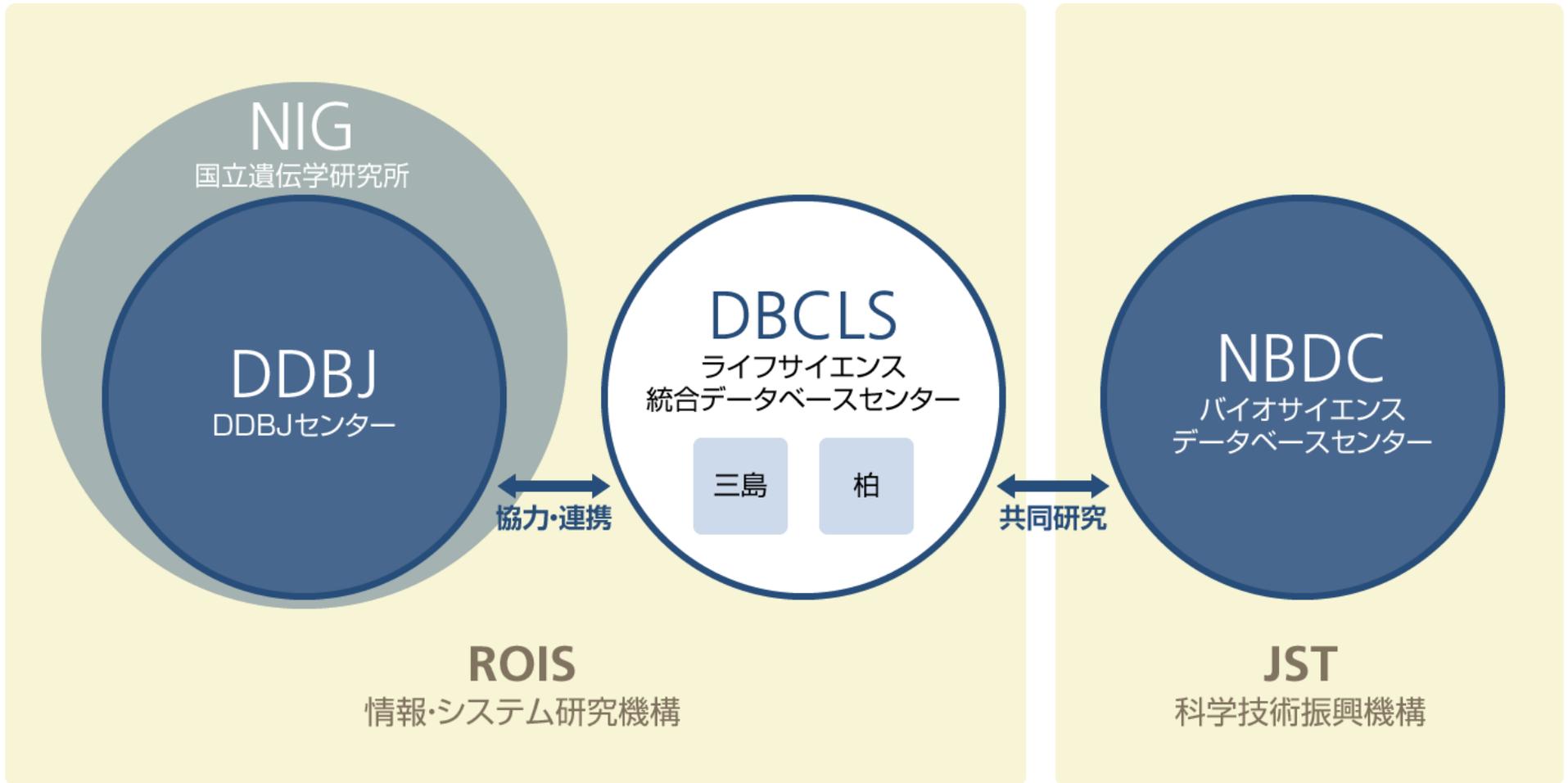
開発者@RefEx

正常組織や細胞株の遺伝子発現データを簡単に検索できるデータベース

講師@統合データベース講習会

ライフサイエンス分野のデータベース統合を担う人材育成





「統合TV」は、生命科学分野の有用なデータベースやツールの使い方を動画で紹介するウェブサイトです。

目的別に検索

- AJACS講習会資料
- ゲノム・核酸 配列解析
- タンパク質 配列・構造解析
- 発現制御解析・可視化
- 文献・辞書・プログラミング
- 著名データベース
- 学会講演・講習会
- 自由に使える画像を探す

関連するタグから検索

- ゲノム (190) 遺伝子 (312)
- タンパク質 (140)
- 配列解析 (171)
- 発現解析 (248) NGS (172)
- 文献検索 (160)
- 情報収集 (93)
- 環境設定 (107)
- DBCLS (178) English (169)
- ウェブツール (174)
- ソフトウェア (64)
- データベース (287)
- 講演 (518) 実習 (301)
- NCBI (53) GEO (18)
- UCSC (16) EBI (10)

Q 全番組のリストから、調べたいDBやウェブツールに関するキーワードで検索! (全 1211 件)

番組のタイトルや画像をクリックすると番組の再生ページへ移動します。 [リクエストはこちら](#)。

表示件数を選ぶ 検索窓にキーワードを入力すると、入力の数ごとに即座に候補の番組が取り込まれます

NCBI BLASTの使い方 ~基本編~ 2017

NCBI BLAST(えぬしーびーあいプラストと発音します)は、問い合わせ配列に類似した配列をデータベース中から検索するツールです。BLASTの名称はBasic Local Alignment Search Toolの頭文字に由来しており、配列解析には欠かせない、基本的なツールです。塩基配列を問い合わせ配列として、nr/ntデータベース (冗長性を排した塩基配列データベース) に対して検索を行い、機能を推定する使い方を説明します。もちろん、塩基配列だけではなく、アミノ酸配列に対しても使えます。



Extending the interoperability of tagtog and PubAnnotation

Biomedical Linked Annotation Hackathon (BLAH) 3 was held in National Institute of Informatics in Tokyo, Japan. On the first day of the Hackathon (16. Jan.), public symposium of the BLAH 3 was held. In this talk, Juan Miguel Cejuela makes a presentation entitled "Extending the interoperability of tagtog and PubAnnotation". (8:04) Here is the proposal of this talk. All presentations are listed in the YouTube list.



Building a cost-effective gold standard set for enriching PubAnnotation

Biomedical Linked Annotation Hackathon (BLAH) 3 was held in National Institute of Informatics in Tokyo, Japan. On the first day of the Hackathon (16. Jan.), public symposium of the BLAH 3 was held. In this talk, Dongseop Kwon makes a presentation entitled "Building a cost-effective gold standard set for enriching PubAnnotation". (10:36) Here are the slides of this talk. All presentations are listed in the YouTube list.



BioCreative 2017 PM task: finding mutations affecting protein interactions for precision medicine

Biomedical Linked Annotation Hackathon (BLAH) 3 was held in National Institute of Informatics in Tokyo, Japan. On the first day of the Hackathon (16. Jan.), public symposium of the BLAH 3 was held. In this talk, Zhiyong Lu makes a presentation entitled "BioCreative 2017 PM task: finding mutations affecting protein interactions for precision medicine". (10:40) All presentations are listed in the YouTube list.



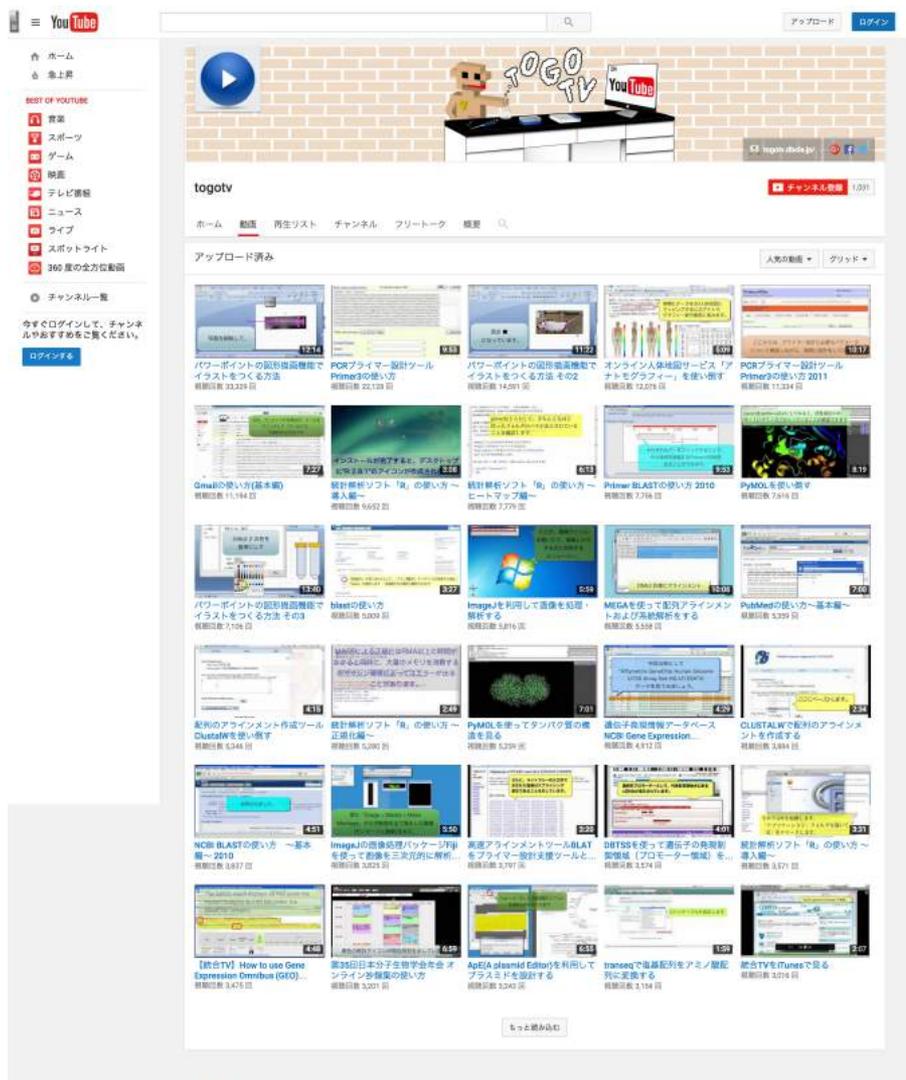
生命科学分野の有用なDBやツールの使い方を動画で手取り足取り解説!!

生命科学研究を進めるために最低限知っておくべきバイオ系DBを網羅

さらに、コピペでできるバイオインフォマティクスから中級者・上級者向けのコマンドライン操作まで徹底解説

統合TV YouTube 支店

<https://www.youtube.com/user/togotv>



YouTube channel page for 'togotv'. The page shows a grid of video thumbnails with titles and view counts. The channel name 'togotv' is visible at the top. The videos are related to bioinformatics and data analysis.



YouTube Analytics report for the 'togotv' channel. The report shows a line graph of views and watch time from 2007 to 2017. The total watch time is 1,464 hours (60 days 23 hours) as of June 2017. The top videos are listed in the table below.

動画	総再生時間 (時間) *	視聴回数	平均視聴時間*	平均再生率 (%) *
パワーポイントの図形描画機能でイラストを...	2,593 (6.0%)	42,367 (5.2%)	3:58	32%
PCRプライマー設計ツール Primer3の使い方	276 (0.6%)	23,567 (2.9%)	3:27	35%
Gmailの使い方(基本編)	813 (1.9%)	17,851 (2.2%)	2:44	37%
パワーポイントの図形描画機能でイラストを...	1,198 (2.8%)	17,770 (2.2%)	4:25	39%
PCRプライマー設計ツール Primer3の使い方 2...	954 (2.2%)	15,859 (1.9%)	4:52	47%
オンライン人体図サービス「アナトモグラ...	22 (0.1%)	12,028 (1.5%)	1:15	24%
統計解析ソフト「R」の使い方～導入編～	127 (0.3%)	11,544 (1.4%)	1:07	36%
Primer BLASTの使い方 2010	555 (1.3%)	10,889 (1.3%)	4:24	45%

講習会のテキストと動画を同時に閲覧できます

http://togotv.dbcls.jp/ja/ajacs_text.html

TOGO TV 生命科学系DB・ツール使い慣し系チャンネル

「統合TV」は、生命科学分野の有用なデータベースやツールの使い方を動画で紹介するウェブサイトです。

はじめての方へ 再生数ランキング お問い合わせ・番組をリクエスト

目的別に検索

- AJACS講習会資料
- ゲノム・核酸配列解析
- タンパク質 配列・構造解析
- 発現制御解析・可視化
- 文献・辞書・プログラミング
- 著名データベース
- 学会講演・講習会

遺伝子発現DB・ウェブツールの使い方 応用・実践編

イベント・講習会の情報

- 開催日時: 2015-05-21
- 講習会名: AJACS御茶ノ水
- 講師: 沖 嘉尚 (日本大学 生物資源学部 応用生物科学科 動物生体機構学研究室)
- 会場: 東京医科歯科大学 M&Dタワー3F 図書館内情報検索室
- このテキストを引用する際はDOIをご利用ください。 DOI: 10.7875/ajacs.2015.007
- この講習に関連するタグ: 実習 AJACS 発現解析 データベース ウェブツール



AJACS御茶ノ水 遺伝子発現DB・ウェブツールの使い方 応用・実践編

日本大学生物資源科学部
動物生体機構学研究室
沖 嘉尚 oki@brs.nihon-u.ac.jp
2015年5月21日 AJACS御茶ノ水@東京医科歯科大学

概要

本講習は、誰でも自由に使うことができる公共データベースからマイクロアレイ解析のサンプルデータを検索し、ウェブツールを活用して発現差のある遺伝子群を抽出する方法について学びます。また、得られた数百～数千におよぶ遺伝子群について、生物学的な解釈をする方法とその結果の考察を実践します。

講習の流れ

今回の講習では、コンピュータを使って以下の内容について説明します。

- 公共の遺伝子発現データベース NCBI Gene Expression Omnibus(GEO)の使い方
 - NCBI GEO
 - 【実習1】 GEOを使って、興味あるマイクロアレイの実験データセットを検索する
- 遺伝子発現データ解析ツール GEO2R の使い方
 - NCBI GEO2R
 - 【実習2】 GEO2Rを使って、GEOに登録されているマイクロアレイデータを解析する
- 遺伝子群の機能解析ツール DAVID の使い方
 - DAVID
 - 【実習3】 DAVIDを使って、解析された遺伝子群の機能解析結果を解釈する

過去のNGSハンズオン講習会の動画もあります

<http://togotv.dbcls.jp/ja/tags.html?tag=NGS速習・ハンズオン>

TOGO TV 生命科学系DB・ツール使い慣し系チャンネル
「拓会TV」は、生命科学分野の有用なデータベースやツールの使い方を動画で紹介するウェブサイトです。

目的別に検索

- AJACS講習会資料
- ゲノム・核酸配列解析
- タンパク質配列・構造解析
- 発現制御解析・可視化
- 文献・辞書・プログラミング
- 著名データベース
- 学会講演・講習会

関連するタグから検索

- ゲノム (126)
- 遺伝子 (220)
- タンパク質 (75)
- 配列解析 (116)
- 発現解析 (183)
- 文献検索 (73)
- 環境設定 (90)
- DBCLS (179)
- English (152)
- ウェブツール (159)
- ソフトウェア (59)
- データベース (280)

【NGS速習・ハンズオン】に関する講習会資料・番組

- 2015-08-08 [AJACS講習会資料] : NGS解析 - ChIP-seq
- 2015-08-05 [AJACS講習会資料] : NGS解析 - RNA-seq, カウントデータ取得以降の統計解析
- 2015-08-05 [AJACS講習会資料] : NGS解析 - RNA-seq
- 2015-08-04 [AJACS講習会資料] : NGS解析 - ゲノムReseq, 変異解析
- 2015-08-03 [AJACS講習会資料] : NGS解析 - NGS解析基礎
- 2015-07-30 [AJACS講習会資料] : データ解析環境R - Bioconductorの利用法
- 2015-07-29 [AJACS講習会資料] : データ解析環境R - R基礎
- 2015-07-28 [AJACS講習会資料] : UNIX/Linuxとスクリプト言語 - Python入門
- 2015-07-27 [AJACS講習会資料] : UNIX/Linuxとスクリプト言語 - Perl入門
- 2015-07-24 [AJACS講習会資料] : UNIX/Linuxとスクリプト言語 - シェルスクリプト入門
- 2015-07-23 [AJACS講習会資料] : UNIX/Linuxとスクリプト言語 - Linux基礎
- 2014-09-01 [AJACS講習会資料] : 1. コンピュータリテラシーとサーバー設計~1-1. OS, ハード構成, 1-2. ネットワーク基礎
- 2014-09-03 [AJACS講習会資料] : 1. コンピュータリテラシーとサーバー設計~1-3. Unix I UNIXの基礎の理解, Linux導入
- 2014-09-03 [AJACS講習会資料] : 1. コンピュータリテラシーとサーバー設計~1-3. UNIX II(続)~UNIXの基礎の理解, Linux導入
- 2014-09-04 [AJACS講習会資料] : 1. コンピュータリテラシーとサーバー設計~1-4. スクリプト言語(Perl)
- 2014-09-04 [AJACS講習会資料] : 1. コンピュータリテラシーとサーバー設計~1-4. スクリプト言語(Perl)
- 2014-09-05 [AJACS講習会資料] : 2. 配列インフォマティクス~2-1. 配列解析基礎
- 2014-09-05 [AJACS講習会資料] : 2. 配列インフォマティクス~2-2. バイオ系データベース概論
- 2014-09-08 [AJACS講習会資料] : 3. データ解析基礎~3-1. R基礎1, 3-2. R基礎2, 3-3. R各種パッケージ
- 2014-09-09 [AJACS講習会資料] : 3. データ解析基礎~3-4. R bioconductor I, 3-5. R bioconductor II
- 2014-09-10 [AJACS講習会資料] : 4. 次世代シーケンサー~4-3. 次世代シーケンサー実習I
- 2014-09-11 [AJACS講習会資料] : 4. 次世代シーケンサー~4-4. 次世代シーケンサー実習II (ChIP-seqの代表的なパイプラインに関する実習)
- 2014-09-11 [AJACS講習会資料] : 6. 分子生命科学~6-1. 分子生命科学概論, 6-2. オミクス概論, 6-3. 遺伝/進化概論
- 2014-09-11 [AJACS講習会資料] : 5. ゲノム関連の倫理・法律~5-1. ゲノム情報倫理概論
- 2014-09-12 [AJACS講習会資料] : 4. 次世代シーケンサー~4-4. 次世代シーケンサー実習II (RNA-seq解析)
- 2014-09-12 [AJACS講習会資料] : 4. 次世代シーケンサー~4-4. 次世代シーケンサー実習II (RNA-seq解析)



YouTube 検索

togotv 動画 再生リスト チャンネル フリートーク 概要

NGSハンズオン講習会2015

togotv • 11本の動画 • 視聴回数 247回 • 最終更新日: 2015/11/16

説明を追加

すべて再生 共有 再生リストの設定 動画を追加

番号	動画タイトル	作成者	再生時間
1	【NGSハンズオン】UNIX/Linuxとスクリプト言語 - Linux基礎	togotv	3:52:11
2	【NGSハンズオン】UNIX/Linuxとスクリプト言語 - シェルスクリプト入門	togotv	4:03:11
3	【NGSハンズオン】UNIX/Linuxとスクリプト言語 - Perl入門	togotv	5:31:47
4	【NGSハンズオン】UNIX/Linuxとスクリプト言語 - Python入門	togotv	4:59:05
5	【NGSハンズオン】データ解析環境R - R基礎	togotv	4:29:35
6	【NGSハンズオン】データ解析環境R - Bioconductorの利用法	togotv	4:46:32
7	【NGSハンズオン】NGS解析 - NGS解析基礎	togotv	4:33:25
8	【NGSハンズオン】NGS解析 - ゲノムReseq, 変異解析	togotv	4:42:07
9	【NGSハンズオン】NGS解析 - RNA-seq	togotv	2:52:17
10	【NGSハンズオン】NGS解析 - RNA-seq, カウントデータ取得以降の統計解析	togotv	2:08:28
11	【NGSハンズオン】NGS解析 - ChIP-seqの基礎実習(初級)	togotv	5:07:20

- 2014年分で延べ 43時間超
- 2015年分で延べ 47時間超
- 2016年分で延べ 64時間超
- YouTubeのリスト機能で連続再生も可能

生命科学分野の静止画素材もあります

<http://togotv.dbcls.jp/ja/pics.html>

≡ 目的別に検索

- 📄 講習会 実習資料 (AJACS)
- 📄 ゲノム・核酸 配列解析
- 📄 タンパク質 配列・構造解析
- 📄 発現制御解析・可視化
- 📄 文献・辞書・プログラミング
- 📄 著名データベース
- 📄 その他講演・講習会

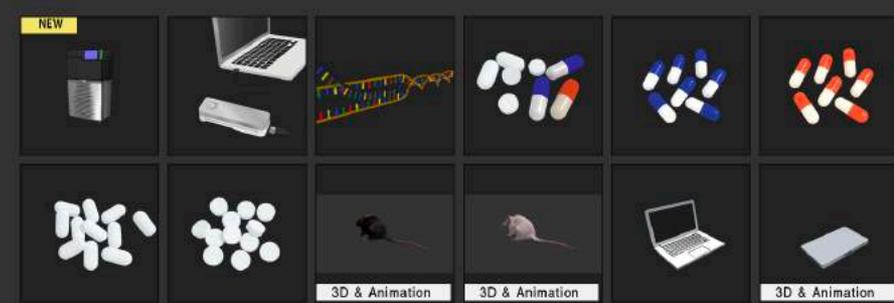
📄 自由に使える画像を探す

TOGO PICTURE GALLERY

生命科学分野のイラストをだれでも自由に閲覧・利用できるように無料で公開しています。研究発表のスライド作成や資料作成等にお使いください。リクエストはこちら。

下のタグをクリックするとサムネイルをソートします。全作品のリストはこちら。

new	モデル生物	細胞	顕微鏡	実験装置	次世代シーケンサー	顕微鏡	実験器具	模式図	活用事例	未分類		
生物アイコン	海綿動物門	平板動物門	刺胞動物門	有種動物門	扁形動物門	環形動物門	軟体動物門	線形動物門	緩歩動物門	節足動物門		
珍渦虫動物門	棘皮動物門	半索動物門	脊索動物門	藍色細菌門	緑藻植物門	被子植物門	プロテオバクテリア門	子囊菌門	織毛虫門			
フィルミクテス門	裸鞭毛虫門	脊椎動物亜門	尾索動物亜門	頭索動物亜門	哺乳綱	鳥綱	両生綱	爬虫綱	昆虫綱	緑藻綱	頭足綱	貧膜口綱
裸鞭毛虫綱	バシラス綱	γプロテオバクテリア綱	獣亜綱	原獣亜綱	無頸上綱	魚上綱	真獣下綱	後獣下綱	霊長目	クジラ目		
恐竜上目	翼竜上目	ネコ目	ウシ目	アブラナ目	イネ目	腸内細菌目						



NEW

3D & Animation

- だれでも自由に閲覧・利用可能な、ライフサイエンス分野の画像・イラスト集
- モデル生物、実験器具、実験装置、模式図、次世代シーケンサー、細胞、顕微鏡など、研究発表のスライド作成や資料作成等に利用可能
- クレジットの明記で、転載・改変・再利用 OK

新着論文レビュー <http://first.lifesciencedb.jp/>

領域融合レビュー <http://leading.lifesciencedb.jp/>



ライフサイエンス 新着論文レビュー

ライフサイエンス 領域融合レビュー



ゲノムワイド関連解析を用いたイネにおける農業形質にかかわる新規の遺伝子の同定

2016年7月11日

矢野 憲司・松岡 信
(名古屋大学生物機能開発利用研究センター 植物分子育種分野)
email: 矢野憲司, 松岡 信
DOI: 10.7875/first.author.2016.073

Genome-wide association study using whole-genome sequencing rapidly identifies new genes influencing agronomic traits in rice.
Kenji Yano, Eiji Yamamoto, Koichiro Aya, Hideyuki Takeuchi, Pei-ching Lo, Li Hu, Masanori Yamasaki, Shinya Yoshida, Hidemi Kitano, Ko Hirono, Makoto Matsuoka
Nature Genetics, DOI: 10.1038/ng.3596

続きを読む



ジャーナル: *Nature Genetics* | タグ: イネ・ゲノムワイド関連解析・植物科学・開花

miR-183クラスターは転写因子Foxo1の発現を負に制御することによりTh17細胞の病原性を促進する

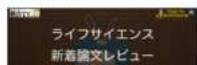
2016年7月8日



検索
3文字以上入力すると補完されます。

このサイトについて

トップジャーナルに掲載された日本人を著者とする生命科学分野の論文について、論文の著者自身の執筆による日本語のレビューを、だれでも自由に閲覧・利用できるように、いち早く公開します。くわしくは、「新着論文レビュー」とはをご覧ください。



統合TVにて解説動画を公開しました。

こちらもご覧ください



ライフサイエンス 領域融合レビュー

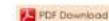
Follow @first_author

真核生物における染色体DNAの複製開始の機構

2016年7月5日

荒木 弘之
(国立遺伝学研究所 微生物遺伝研究部門)
email: 荒木弘之

領域融合レビュー, 5, e006 (2016) DOI: 10.7875/leading.author.5.e006
Hiroyuki Araki: **Molecular mechanism of the initiation of chromosomal DNA replication in eukaryotes.**



続きを読む

研究領域: 分子生物学 | タグ: DNA複製・構造解析・複製フォーク・複製開始点

植物に特徴的なタンパク質複合体による細胞分裂の制御機構

2016年5月16日



検索
3文字以上入力すると補完されます。

このサイトについて

生命科学において注目される分野・学問領域における最新の研究成果について、第一線の研究者の執筆による日本語のレビューを、だれでも自由に閲覧・利用できるように、無料で公開します。くわしくは、「領域融合レビュー」とはをご覧ください。



統合TVにて解説動画を公開しました。

こちらもご覧ください



ライフサイエンス 新着論文レビュー

Follow @first_author

- ・ 生命科学の加速度的な発展や研究分野の細分化が進むなか、最新の知見・情報を得る
- ・ 広く生命科学全般にかかわる教員・研究者および大学院生・学生を対象とし、専門の異なる読者にも論文の先進性およびおもしろさがわかるように編集
- ・ クレジットの明記で、転載・改変・再利用 OK

ライフサイエンス辞書との連携

逐次PubMed/MEDLINE表現検索 inMeXes

4文字以上入力すると検索が始まります。

(大文字小文字は区別されます。ハイフンとスラッシュは結果に空白として表示されます。入力された情報は暗号化されて送信されます。)

▶ inMeXesとは?



The screenshot shows the search interface with the following elements:

- Search input: `be associated`
- Buttons: `で始まる`, `表現を検索`, `フィルタを表示`
- Results: `最大結果表示件数: 20`, `検索結果のリンク先: LSD共起リスト`, `Permalink(?)`
- Table of results with columns for ID, expression, and associated terms.

ID	Expression	Associated Terms
149399	be associated with	Medicine / Neoplasms / Neurology
20563	be associated with the	Biochemistry / Neoplasms / Medicine
14790	be associated with a	Neoplasms / Medicine / Neurology
6704	be associated with an	Neoplasms / Medicine / Neurology
4962	be associated with increased	Neoplasms / Medicine / Cardiology
3505	be associated with an increased	Neoplasms / Medicine / Vascular Diseases
2399	be associated with an increased risk	Neoplasms / Medicine / Vascular Diseases
1965	be associated with an increased risk of	Neoplasms / Medicine / Vascular Diseases
1896	be associated to	Medicine / Neurology / Biochemistry
1783	be associated with the development	Neoplasms / Medicine / Allergy and Immunology
1663	be associated with the development of	Neoplasms / Medicine / Allergy and Immunology
1437	be associated with higher	Medicine / Neoplasms / Psychiatry
1360	be associated with significant	General Surgery / Medicine / Pediatrics
1237	be associated with reduced	Neoplasms / Medicine / Neurology
1139	be associated with a higher	Medicine / Neoplasms / General Surgery
1139	be associated with increased risk	Neoplasms / Medicine / Epidemiology
1114	be associated with lower	Medicine / Nutritional Sciences / Neoplasms
1053	be associated with poor	Neoplasms / Medicine / Psychiatry
1018	be associated with other	Medicine / General Surgery / Pediatrics
998	be associated with decreased	Neoplasms / Medicine / Neurology

inMeXes はDBCLSにより提供されています。ご利用に際してサイトポリシーをご覧ください。

「英辞郎 on the WEB」とは、EDP制作の英和・和英データベース(英辞郎)をウェブブラウザ経由で利用できるサービスです。

※「英辞郎」は道端早知子氏の登録商標です。

ご意見等ございましたらこちらまでお寄せください。 support AT dbcls.rois.ac.jp



共起リスト (1語後でソート)

2語前でソート | 1語前でソート | 集計値を見る | 1語後でソート | 2語後でソート

同じ番号をクリックするとPubMedの該当ページを表示します

1 not defocus when wearing either SVLs or PALs was associated with the 1-year change in central myopia.
2 The 50W Vg protein was associated with the 4p subunit of the eukaryotic tra
3 stability and increased pH of HA activation were associated with the AA/60 M gene.
4 These pathological roles may be associated with the ability of the virus to assemble
5 disease is a neurodegenerative disease that is associated with the abnormal accumulation of amyloid-
6 Act1-1L-10 antibody treatment was associated with the abrogation of this protective of
7 maternal provisioning by means of a placenta is associated with the absence of bright coloration, cou
8 for only 3 days, hepatic insulin resistance was associated with the accumulation of C3b/iC3b/C3c in
9 etely 4-fold up-regulation of HLA-DR7, which was associated with the accumulation of misfolded heavy
10 methylation changes in the cancer methyome are associated with the acquisition of drug resistance.
12 be skin carcinogenesis and, as for UVB, this is associated with the acquisition of genomic DNA damage
13 Corneal endothelial abnormalities are associated with the activation of the noncanonical N
14 linking superoxide flow into the interstitium is associated with the activation of mitochondria and a
15 apoptosis and G2/M cell cycle arrest, which was associated with the activation of reward neural circu
16 Our results further suggest that MDSCs may be associated with the activity of disease in NM.
17 revealed that the enhanced anicis resistance was associated with the activation of the Src/Akt/Erk si
18 Enhanced NF-κB turnover was associated with the activity of disease in NM.
19 disease is an acute hepatitis in horses that is associated with the administration of equine blood pr
20 nal domain belongs to the COE1058 family and is associated with the ADE-ribose pyrophosphatase activi
22 oroptical denatials are proteoglycans that are associated with the aggregation and accumulation of
23 mon movement neurodegenerative disorder and is associated with the aggregation of alpha-synuclein (a
24 Kip1) resides mostly in the cytoplasm, which is associated with the aggressive nature of cancer cells
25 ion involved the gene designated wrc, which is associated with the alpha-2 transfer of 5a pyrazol
26 id-beta load on positron emission tomography are associated with the Alzheimer's disease-related path
27 set platforms and to the major barriers that are associated with the analysis of the phosphoproteome.
28 of the tubular heart contains filaments that were associated with the anterior LM at earlier developme
29 hown to be capable of initiating running and is associated with the ascending reticular activating sy
30 atherosclerotic plaques, and certain ACPAs are associated with the atherosclerotic burden.
31 resistance to an increasing number of drugs was associated with the Beijing genotype (p0.01).
32 utilization of cisplatin-based chemotherapy is associated with the best chance of cure for EGCS.
33 n was present and in whom a GAGC and LD to 13 was associated with the best outcome.
34 epitidoglycan and imply that the binding site is associated with the beta-sheet.
35 r nicotinic acetylcholine receptors (nAChRs) is associated with the binding of agonists such as acetyl
36 Decreased odds of a calf being a case were associated with the calf having been kept outside
37 The ribosomal gene RPS14 is associated with the cancer-prone S4-syndrome, which I
38 nearly inherited mutations in the TRPM4 gene are associated with the cardiac bundle-branch disorder p
39 hat all four critical surfaces act while Gag is associated with the cellular facilitators of assembly
40 subpopulations during tick passage that may be associated with the change in disease phenotype.
41 dry mediator, and its deregulated activation is associated with the chronic inflammation of autoimmune
42 tated neuronal activity, functions that have been associated with the cleavage of Neurogranin and a vo
43 Human rhinovirus (HRV) infections are associated with the common cold, occasionally with n
44 e in the absence of the negative charge that is associated with the common V609K mutation.
45 a gene or a genetic region of all variants are associated with the complex diseases or traits.
46 PC-3 cells by cDNA and/or shRNA transfection is associated with the corresponding changes of cell gro
47 richie cell cell periphery and that R98m 11 is associated with the cytoplasmic membrane by its amino
48 (TRK1alpha) and decreased splicing of XNL-1 were associated with the decreased survival of the Inf-
49 roapoptotic response elicited by valinoylcin is associated with the degradation of Mc1-1.
50 addition, clinical outcomes of GBM patients are associated with the degree of HCM infection.
51 ut of A-beta deposition in each brain region was associated with the degree of local, aggregated bil
52 led among infected versus vaccinated ferrets was associated with the degree of protection offered by
53 nally with sequence similarity 20-C (FAM20C) were associated with the genetic defects and whether hypo
54 d replication demand of RRF1-depleted larvae is associated with the depletion of glutathione pools.
55 the epidermal growth factor receptor (EGFR) are associated with the development of a variety of can
56 virus-induced respiratory wheezing illnesses are associated with the development of asthma.
57 s) that lack the ligand-binding domain (LBD) are associated with the development of castration-resist
58 est are those molecular genetic changes that are associated with the development of distinct breeds.
59 al exposures to airborne asbestos and silica are associated with the development of lung fibrosis in
60 In the case of gammaherpesviruses, which are associated with the development of lymphoproliferati
61 onogenic activation of RFL tyrosine kinase, are associated with the development of medullary thyroid
62 ne suggests that histone methyltransferases are associated with the development of various human dis
63 he core of the cognitive deficits in LLD and are associated with the development of WMs in specific
64 riation at the human M1NA locus was found to be associated with the development of childhood atopic a
65 melanoma therapy but have also been found to be associated with the development of cutaneous squamous
66 hat dysregulated innate immune responses may be associated with the development of this disorder.
67 Decreases in endogenous H2E synthesis have been associated with the development of cardiovascular d
68 as neuronal excitability, and loss of TA has been associated with the development of epilepsy.
69 Valvular calcification is associated with the development and progression of ao
70 s, our study shows that the IL-12-STAT4 axis is associated with the development and the functions of
71 Cholesty is associated with the development of asthma, which is a
72 mune response to the bacterial cell wall and is associated with the development of Crohn's disease. B
73 Controlled mechanical ventilation (CMV) is associated with the development of diaphragm atrophy

- 英語で論文や記事を書く際に、よく使われる表現を確認する
- 綴りに自信がなくても目的の英語表現を容易に検索
- 興味のある遺伝子や蛋白質に関する記述としてよく使われる表現を検索する

Allie (アリー): 生命科学分野の略語/展開形検索

<http://allie.dbcls.jp/>



Allie A Search Service for Abbreviation / Long Form

■ 略語/展開形の検索

[Allie Data Portal](#) | [SOAP/REST APIについて](#) | [English](#)

[ヘルプ](#) | [略語一覧](#)

Allieとは?

Allie(アリー)は生命科学分野において利用されている略語とその展開形を検索するサービスです。文献中に多く出現する略語は多義語であることが多く、特に専門外の読者には理解するのに困難を伴うことがあります。Allieはこの問題に対する一つの解となるよう開発されています。Allieは米国国立保健図書館(National Library of Medicine, NLM)の生物医学分野における書誌情報データベースであるMEDLINE®に含まれる全ての題目と要旨を対象として略語とその展開形を検索します。MEDLINEは2000万件を越す書誌情報を収めており、実際の文献中に出現する領域固有の略語とその展開形を抽出するのに相応しいものとなっています。

Allieで何が出来るのか?

- ・ 略語の展開形もしくはある表現の略語を知ることが出来ます。
- ・ 検索結果の略語もしくは展開形を題目あるいは要旨を含むPubMed/MEDLINE書誌情報が得られます。
- ・ 検索結果の略語もしくは展開形を含む題目あるいは要旨に共起する他の略語が得られます。
- ・ 利用者のプログラムからAllieの機能が容易に使えるよう、SPARQL/REST/SOAPインターフェースを備えています。

動画チュートリアル

Allieの使い方を動画で解説しています。[こちら](#)をご覧ください。

新着情報ブログ

データを更新した際に追加された略語などについての情報を[こちら](#)にアップしています。

関連文献

Allieの詳細については下記の文献を参照してください。:
 Y. Yamamoto, A. Yamaguchi, H. Bono and T. Takagi, "Allie: a database and a search service of abbreviations and long forms.", Database, 2011:bar03.
[PubMed Entry](#) | [Full text paper available](#)

また、AllieはALICEという、MEDLINEデータから略語とその展開形の組を抽出するツールを利用しています。詳細は下記の文献を参照してください。:
 H. Ao and T. Takagi, "ALICE: an algorithm to extract abbreviations from MEDLINE.", J Am Med Inform Assoc., 2005 Sep-Oct;12(5):576-86.
[PubMed Entry](#) | [Full text paper available](#)

更新

Allie A Search Service for Abbreviation / Long Form

■ 検索結果 - 略語: iPS

検索条件:

検索語: **iPS**
 検索方法: **完全一致**

主な研究分野:

- (Any)
- 細胞生物学
- アレルギー・免疫
- 生化学, 生物化学
- 生物物理学
- 倫理学
- 生物学

結果:

該当略語: **2件**
 (何れかを選択して該当結果を表示)

- iPS
- iPS

(出現頻度降順)

略語: **iPS**
 出現頻度: **1553**
 対応する展開形の数: **9**

表示設定:

[1ページの件数]

20

ページ移動



1 / 1 ページ

展開形 No.	展開形	主な研究分野	共起略語	PubMed/MEDLINE情報 (発表年, 題目)
1	induced pluripotent stem (1529 回)	Cell Biology 細胞生物学 (351 回)	ES (356 回) hES (37 回) ESCs (36 回)	2007 Generation of germline-competent induced pluripotent stem cells.
2	immunoproteasome (8 回)	Allergy and Immunology. アレルギー・免疫 (3 回)	CPs (3 回) PS (3 回) DCs (2 回)	2003 IFN-alpha mediates the up-regulation of HLA class I on melanoma cells without switching proteasome to immunoproteasome.
3	induced pluripotent cells (7 回)	Biochemistry 生化学, 生物化学 (1 回)	ESC (1 回) ESCs (1 回) LR (1 回)	2010 Reprogramming of human fibroblasts to pluripotent stem cells using mRNA of four transcription factors.
4	isotactic polystyrene (3 回)	Biophysics 生物物理学 (1 回)	AFM (1 回) ALS (1 回) aPS (1 回)	2006 Exploring time-dependent structural changes during the cold crystallization process of isotactic polystyrene by infrared spectroscopy and multivariate curve resolution.
5	induced reprogramming of adult cells to an embryonic	Ethics 倫理学	—	2008 [Ethical principles in research

- ・ ある略語について、その正式名称を知る
- ・ ある略語が最初に文献に登場した時期を知る
- ・ 新たな略語をつくりようとしたとき、その略語がすでに存在しているかどうかを調べる

テキスト比較ツール diff 《デューフ》

<http://diff.jp>

テキスト比較ツール diff 《デューフ》 ver.6.1

[English](#) | [Japanese](#) | [旧バージョン\(ver.5\)](#)

下の枠に比較したい文章を入れてください。差分 (diff) を表示します。

下記の文章を比較してください。

```
Betty Botter bought some butter,  
But, she said, this butter's bitter;  
If I put it in my batter,  
It will make my batter bitter,  
But a bit of better butter  
Will make my batter better.  
So she bought a bit of butter  
Better than her bitter butter,  
And she put it in her batter,  
And it made her batter better,  
So 'twas better Betty Botter  
Bought a bit of better butter.
```

下記の文章を、比較してください。

```
Betty Botter bought some butter,  
But, she said, the butter's bitter;  
If I put it in my batter,  
That will make my batter bitter.  
But a bit of better butter,  
That will make my batter better.  
So she bought a bit of butter  
Better than her bitter butter,  
And she put it in her batter,  
And it made her batter better.  
So it was better Betty Botter  
Bought a bit of better butter.
```

diffコマンドを使った比較結果をWeb
上に表示するツール

テキストボックスに比較したい文章を
コピーしてボタンを押すだけで2つの
文章でどこが変更されたのか、差分の
確認ができる

日本語のテキストも対応

Word文章はもちろんソースコード、
遺伝子リストなどの比較も可能

比較する

下記の文章を比較してください。

```
Betty Botter bought some butter,  
But, she said, this butter's bitter;  
If I put it in my batter,  
it will make my batter bitter,  
But a bit of better butter  
Will make my batter better.  
So she bought a bit of butter  
Better than her bitter butter,  
And she put it in her batter,  
And it made her batter better,  
So 'twas better Betty Botter  
Bought a bit of better butter.
```

文字数: 308

空白数: 63 空白込み文字数: 371

改行数: 13 改行込み文字数: 384

単語数: 72

下記の文章を比較してください。

```
Betty Botter bought some butter,  
But, she said, the butter's bitter;  
If I put it in my batter,  
That will make my batter bitter.  
But a bit of better butter,  
That will make my batter better.  
So she bought a bit of butter  
Better than her bitter butter,  
And she put it in her batter,  
And it made her batter better,  
So it was better Betty Botter  
Bought a bit of better butter.
```

文字数: 316

空白数: 62 空白込み文字数: 378

改行数: 13 改行込み文字数: 391

単語数: 74

結果のみ表示 (印刷用) | カラー-1 | カラー-2 | モノクロ

この結果を公開する

この結果をデューフサーバに保存し、公開用のURLを発行します。

削除パスワードを設定しておけば、あとで消すこともできます。

公開期間は3日間です。公開期間を過ぎると自動的に削除されます。

削除パスワード:

設定したパスワードは後で確認することが





Enter an accession number (e.g. NM_006299) or genome location (e.g. hg19:chr7:90000-901000):

or Paste a nucleotide sequence:

```
>sample sequence
atgcccgcgtcgtgccccagcagagcaagctcagagcagggagtttttggagag
ctggaccagcagctgagatttaagtcagggttcaggaccagcccaagagcgc
cagcagcctctccagaccgctcgcagcagcagcctcagagctcttttggccca
ggaaccacactgctctccagttttccagcagctgcagaggaagcagcagcaaca
cctagccagagatgctcctctgagagagagcagcagcagctatattgagagctcc
atgattctgagagagctgctgctctgagagagcagcagcagctcctcagagctgag
gattagagctctgagagctgagagagcagcagcagcagcagcagcagcagcagc
cagcagcttggagagctcagagagcagcagcagcagcagcagcagcagcagcagc
cagagagagagctgagagcagcagcagcagcagcagcagcagcagcagcagcagc
ggtgagcctcaactctgctaa
```

or upload sequence file: 選択されていません

PAM sequence requirement: (e.g. NGG, NRG)

Specificity check:

Whats' new:

- 2016-06-14 Added 10 species - List
- 2015-10-05 CRISPRdirect supports 200+ species - List of species
- 2015-01-13 HTTPS encrypted connections supported - <https://crispr.dbcls.jp/>
- 2014-11-21 CRISPRdirect paper has been published in *Bioinformatics* - Full text
- News archives

CRISPRdirect | DBCLS

This page is licensed under a [Creative Commons Attribution 2.1 Japan License](https://creativecommons.org/licenses/by/4.0/).

If you use CRISPRdirect in your work, please cite:

Naito Y, Hino K, Bono H, Ui-Tel K. (2015)
CRISPRdirect: software for designing CRISPR/Cas guide RNA with reduced off-target sites.
Bioinformatics, 31, 1120-1123. [\[Full Text\]](#)

Results:

Sequence name: sample sequence

PAM sequence: NGG

Specificity check: Human (Homo sapiens) genome, GRCh37/hg19 (Feb, 2009)

Time: 2016-07-12 15:32:45

- Highlighted target positions (e.g., **45 - 67**) indicate sequences that are highly specific and have fewer off-target hits.
- Target sequences with '0' in '20mer+PAM' (in number of target sites column) are shown in gray.
- Such sequences may possibly span over exon-exon junctions, so avoid using these.
- Target sequences with TTTTs are also shown in gray. Avoid TTTTs in gRNA vectors with pol III promoter.

show highly specific target only

Show 20 entries Search:

position	start - end	target sequence	sequence information			number of target sites		
			GC% of 20mer	Tm of 20mer	TTTT in 20mer	20mer +PAM	12mer +PAM	8mer +PAM
4 - 26	-	ccgcgctcgtgccccagcagag [gRNA]	75.00 %	82.34 °C	-	1 [detail]	3 [detail]	103 [detail]
16 - 38	-	cccgaccagagagcagcagctcga [gRNA]	50.00 %	71.17 °C	-	1 [detail]	26 [detail]	4354 [detail]
17 - 39	-	ccagccagagagcagcagctcga [gRNA]	50.00 %	71.53 °C	-	1 [detail]	32 [detail]	5910 [detail]
21 - 43	-	ccagagagcagcagctcgaagc [gRNA]	50.00 %	69.25 °C	-	1 [detail]	24 [detail]	8744 [detail]
24 - 46	+	gagagcagcagctcgaagcagc [gRNA]	50.00 %	69.25 °C	-	1 [detail]	2 [detail]	306 [detail]
35 - 57	+	tcagagcagcagcagctcgaagc [gRNA]	40.00 %	66.49 °C	+	1 [detail]	25 [detail]	9901 [detail]
66 - 88	-	ccgcgctcgtgccccagcagag [gRNA]	40.00 %	65.70 °C	-	0 [detail]	3 [detail]	1097 [detail]
69 - 91	+	cgagctgagcttaagtcac [gRNA]	40.00 %	65.70 °C	-	0 [detail]	26 [detail]	3790 [detail]
70 - 92	+	gagctgagcttaagtcac [gRNA]	40.00 %	65.27 °C	-	0 [detail]	3 [detail]	3604 [detail]
77 - 99	+	agcttaagtcacagcagcctc [gRNA]	45.00 %	70.40 °C	-	1 [detail]	6 [detail]	1306 [detail]
78 - 100	+	gatttaagtcacagcagcctc [gRNA]	45.00 %	70.01 °C	-	1 [detail]	9 [detail]	6616 [detail]
83 - 105	+	agtcacagcagcagcagcagc [gRNA]	60.00 %	78.32 °C	-	1 [detail]	63 [detail]	6397 [detail]
93 - 115	+	cttcagagcagcagcagcagc [gRNA]	75.00 %	84.21 °C	-	1 [detail]	7 [detail]	2568 [detail]
102 - 124	+	ccggcccccagagagcagcagc [gRNA]	80.00 %	86.67 °C	-	1 [detail]	1 [detail]	1244 [detail]
102 - 124	+	ccggcccccagagagcagcagc [gRNA]	75.00 %	84.31 °C	-	1 [detail]	19 [detail]	3777 [detail]
106 - 128	+	cccgagagagcagcagcagcagc [gRNA]	70.00 %	80.55 °C	-	1 [detail]	1 [detail]	1098 [detail]
107 - 129	+	cccgagagagcagcagcagcagc [gRNA]	70.00 %	82.51 °C	-	1 [detail]	2 [detail]	1116 [detail]
108 - 130	+	cccgagagagcagcagcagcagc [gRNA]	70.00 %	82.52 °C	-	1 [detail]	2 [detail]	1011 [detail]
120 - 142	+	ccagagcagcagcagcagcagc [gRNA]	65.00 %	80.61 °C	-	1 [detail]	6 [detail]	1510 [detail]
130 - 152	+	ttccagagcagcagcagcagc [gRNA]	65.00 %	80.58 °C	-	1 [detail]	4 [detail]	289 [detail]

Showing 1 to 20 of 77 entries

Graphical View:



- 入力した塩基配列に対してCRISPR/Cas9システムのガイドRNAを設計する
- 目的以外の部位で誤ってゲノム編集が起こる「オフターゲット効果」の少ないガイドRNAを効率よく設計可能
- 主要なモデル生物に加え、ゲノム配列が公表されている200以上の生物種に対応

RefEx - Reference Expression Dataset

<http://refex.dbcls.jp/>

Reference
Expression
Dataset

English | 日本語



臓器ごとの発現比較を
4つの実験手法と
ボディパーツ3Dで。
▼もっと詳しく

Reference
Expression
Dataset

English | 日本語



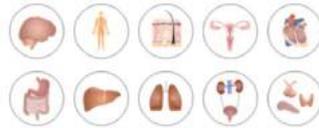
臓器ごとの発現比較を
4つの実験手法と
ボディパーツ3Dで。
▼もっと詳しく



キーワードで検索

検索

組織特異的に発現する
遺伝子を見る



遺伝子オントロジー
Gene Ontology

- cellular process
- biological regulation
- metabolic process
- multicellular organismal process
- response to stimulus
- developmental process

他のオントロジーを選ぶ

遺伝子ファミリー
InterPro

- RNA recognition motif, RNP-1
- Pleckstrin homology
- Kruppel-associated box
- Protein kinase-like domain
- Zinc finger, C2H2-like
- GPCR_rhodopsin-like superfamily

他のファミリーを選ぶ

染色体

染色体領域を選ぶ



結果一覧 470 件中 1 - 10 件を表示

10 | 最初 | 最後 | ソート: Tissue Specificity, high | リストをクリア | リストを見る 0 | ダウンロード

遺伝子名

3Dマップ

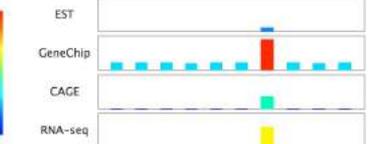
相対発現量

mannose-binding lectin (protein C) 2, soluble (opsonic defect)

リストに追加する | リストから削除する

同義遺伝子名
Mannan-binding protein, MBL, MGC116833, MBL2, MBP-C, Mannose-binding protein C precursor, MGC116832, Mannose-binding lectin, COLEC1, HSMBPC, MBP1

Refseq ID NM_000242
GeneID 4153
Unigene ID Hs.499674
Probe set ID 207256_at

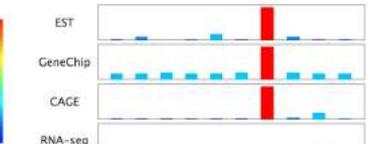


fibrinogen alpha chain

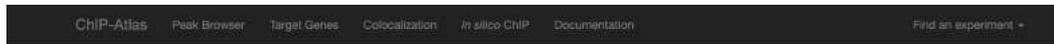
リストに追加する | リストから削除する

同義遺伝子名
MGC119423, FGA, fibrinogen alpha chain, Fibrinogen alpha chain precursor, Fib2, MGC119422, MGC119425

Refseq ID NM_000508
GeneID 2243
Unigene ID Hs.351593
Probe set ID 205649_s_at



- 正常組織や細胞株における遺伝子発現データを調べる
- 測定手法による遺伝子発現量の違いを比較する
- 組織特異的に発現する遺伝子をワンタッチで検索可能
- 遺伝子発現解析などで見出された不詳な遺伝子群の機能および関係性を調べる



ChIP-Atlas

ChIP-Atlas is an integrative and comprehensive database for visualizing and making use of public ChIP-seq data. ChIP-Atlas covers almost all public ChIP-seq data submitted to the SRA (Sequence Read Archives) in NCBI, DDBJ, or ENA, and is based on over 44,000 experiments.

[Watch movie introduction](#)

The four main features of ChIP-Atlas are:

Peak Browser

graphically visualizes protein binding on given genomic loci with genome browser (IGV).

[Watch Movie](#)

Target Genes

predicts target genes bound by given transcription factors.

[Watch Movie](#)

Colocalization

predicts partner proteins colocalizing with given transcription factors.

[Watch Movie](#)

in silico ChIP

predicts proteins bound to given genomic loci and genes.

[Watch Movie](#)

図 1. ChIP-Atlas の機能

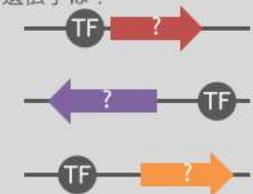
① Peak Browser

何がどこに結合？



② Target Genes

標的遺伝子は？



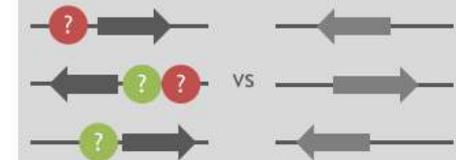
③ Colocalization

共局在パートナーは？



④ in silico ChIP

Enrichment 解析など



DBCLS
Database Center
for Life Science
KYUSHU UNIVERSITY
THIS WORK IS SUPPORTED BY HPC SUPERCOMPUTER SYSTEM AND NATIONAL BIOSCIENCE DATABASE CENTER.
NEED HELP? CREATE AN ISSUE ON GITHUB OR CONTACT US

- 論文として発表された ChIP-Seq データを閲覧したい
- 興味のあるゲノム領域における、転写因子や修飾ヒストンの分布を知りたい
- 興味のある転写因子の下流遺伝子や、複合体形成パートナーを知りたい
- 自身の研究データと公開 ChIP-seq データを用いて比較解析をおこないたい

- 顕微鏡 や 実験試薬 などと同じ「道具（ツール）」
- 最新の情報は インターネット検索を駆使して把握
- 便利な「道具」を知って、その使い方が分かれば、あとは情報分析力と想像力の勝負。
- 困ったら、統合TV!! (※宣伝)
- 研究に役立ったら、ぜひ引用・クレジットを!

今日から使える便利な生命科学系公共データベース

仮説構築 から (実験、データ解析、) 論文執筆 まで

研究者の暮らしをささえる



の提供でお送りしました

<http://dbcls.rois.ac.jp/>

