

KEGGの健康情報カテゴリー



KEGG MEDICUS

<https://www.kegg.jp/kegg/medicus/>



KEGG MEDICUS は KEGG NETWORK/DISEASE/DRUG データベースと、日本および米国の医薬品添付文書を統合したリソースです。ゲノムの情報と疾患との関連、医薬品の作用・副作用との関連、薬剤応答や薬剤耐性との関連などが蓄積され、研究者コミュニティだけでなく、一般社会にとっても有用なリソースとなっています。

KEGG MEDICUS

ゲノム・ネットワーク・疾患・医薬品の統合リソース



医薬品情報検索

KEGG MEDICUS 日本語版では KEGG DISEASE/DRUG データベース、我が国の医療用医薬品添付文書と一般用医薬品添付文書、米国の医療用医薬品添付文書を統合して利用できるインターフェースを提供しています。詳しくは医薬品検索の利用法をご覧ください。また医薬品情報の全体像については医薬品コードもご覧ください。

医薬品成分検索

医薬品には有効成分の他に様々な添加物が含まれています。これがジェネリック製品の違いやアレルギー等の副作用にも関連します。KEGG では医療用医薬品添付文書に記載された添加物をすべて抽出してデータベース化しており、有効成分とともに検索することができます。詳しくは医薬品成分検索の利用法をご覧ください。

医薬品相互作用チェック

入力した薬リストの中に併用禁忌や併用注意に該当する相互作用がないかをチェックするツールです。医療用医薬品と一般用の要指導医薬品および第1類医薬品が対象です。複数の薬リストを管理することができ、データはウェブブラウザのローカルストレージに保存されます。詳しくは医薬品相互作用チェックの利用法をご覧ください。

KEGG お薬手帳

KEGG お薬手帳は、個人が使用している医薬品のリスト管理するためのツールです。各医薬品は添付文書やKEGGの情報にリンクされ詳細を知ることができます。医薬品相互作用チェックツールと同様に、データはウェブブラウザのローカルストレージに保存されます。またデバイス間でのデータ共有も可能です。詳しくはお薬手帳のページをご覧ください。

- 日本の医薬品添付文書情報は日本医薬情報センター (JAPIC) との契約に基づき提供しています。大量データの取得は禁止されています。大量のアクセスがあった IP アドレスは予告なしに使用停止になる場合があります。
- 米国の医薬品添付文書情報は DailyMed データベースへのリンクとして提供しています。
- KEGG MEDICUS は薬や病気に対する科学的理解を深めることを目的としたサービスです。実際の薬の使用は医師・薬剤師の指示で行ってください。

KEGG MEDICUSは「統合化推進プログラム」の研究開発課題「ヒトゲノム・病原体ゲノムと疾患・医薬品をつなぐ統合データベース」(研究代表者: 金久 實 京都大学 化学研究所 特任教授)の一環として開発・運営されています。

参考文献

- Kanehisa M, et al., "KEGG: biological systems database as a model of the real world", Nucleic Acids Research, vol. 53, No. D1, pp. D672-D677, 2025 (DOI: 10.1093/nar/gkae909).



国立研究開発法人科学技術振興機構 (JST)
情報事業部 NBDC事業推進室

Tel: 03-5214-8491 E-mail: nbdc-dicp@jst.go.jp



Creative Commons 表示4.0国際ライセンス

(2026年4月)

KEGGの健康情報カテゴリー



KEGG MEDICUS

<https://www.kegg.jp/kegg/medicus/>



DISEASE - COVID19

Entry	H02398	Disease
Name	COVID-19; Coronavirus disease 2019	
Description	Coronavirus disease of 2019 (COVID-19) is a highly contagious respiratory infection that is caused by the severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 (SARS-CoV-2). SARS-CoV-2 infects alveolar epithelial cells (mainly alveolar epithelial type 2 (AEC2) cells) through the angiotensin-converting enzyme 2 (ACE2) receptor. Upon the occupancy of ACE2 by SARS-CoV-2, the increased serum level of free Angiotensin II (Ang II) due to a reduction of ACE2-mediated degradation promotes activation of the RAS-MAPK pathway via ang II type 1 receptor (AT1R), followed by interleukin-6 (IL-6) production. SARS-CoV-2 also activates the innate immune system; macrophage stimulation triggers the overproduction of pro-inflammatory cytokines, including IL-6, and the "cytokine storm", which results in systemic inflammatory response syndrome and multiple organ failure. The combined effects of complement activation, dysregulated neutrophils, endothelial injury, and hypercoagulability appear to be intertwined to drive the severe features of COVID-19.	
Category	viral infectious disease	
Brite	human diseases in ICD-11 classification [BR:br08403] 25 Codes for special purposes International provisional assignment of new diseases of uncertain aetiology RA01 COVID-19 H02398 COVID-19 Pathway-based classification of diseases [BR:br08402] Immune system nt06513 Complement cascade H02398 COVID-19 nt06517 TLR signaling H02398 COVID-19 nt06519 RLR signaling H02398 COVID-19 Genome-based classification of infectious diseases [BR:br08401] Viral infections Infections caused by +ssRNA viruses H02398 COVID-19 Infectious diseases by law in Japan [br08406.html] H02398 Specified pathogens by law in Japan [br08416.html] H02398 BRITE hierarchy	
Disease pathway	hsa05171 Coronavirus disease - COVID-19	
Network	nt065171 SARS coronavirus 2 (SARS-CoV-2) nt065133 complement cascade nt06517 TLR signaling nt06519 RLR signaling	
Pathogen	SARS-CoV-2 [GN:7480581] Remdesivir [DR:D11472] Molnupiravir [DR:D11519] Nirmatrelvir and ritonavir [DR:D12289] Tilavertinib and cilgavir [DR:D12282] Sotrovimab [DR:D12102] Tolizumab [DR:D11911] Elasomeran [DR:D12111] COVID-19 vaccine [DR:D12115] COVID-19 vaccine [DR:D12129] SARS-CoV-2 Spike glycoprotein vaccine antigen mvx-cov2373 [DR:D12336] Tocilizumab [DR:D09396] Barricitinib [DR:D09398] Vilobelimab [DR:D09183] Bamlanivimab [DR:D11936] Etesevimab [DR:D10441] Bebtelovimab [DR:D12174] Penicillart [DR:D12876]	
Other DBs	ICD-11: RA01	
Reference	PHID:32015508	
Authors	Wu F, Zhao S, Wu B, Chen YH, Wang W, Song ZG, Hu Y, Tao ZW, Tian JH, Pei Y, Yuan XL, Zhang YL, Dai FH, Liu Y, Wang JH, Zheng J, Xu L, Holmes EC, Zhang YZ	
Title	A new coronavirus associated with human respiratory disease in China.	
Journal	Nature 579:265-269 (2020) DOI:10.1038/s41586-020-2008-3	

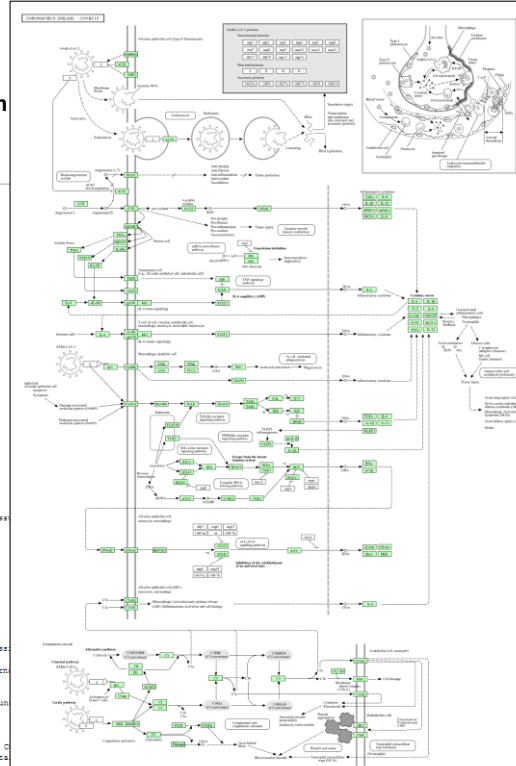
KEGG MEDICUSでは、疾患の情報とともに、ヒト疾患に関わるパスウェイや遺伝子変異、薬剤などのさまざまな情報が統合されています。

Human Diseases in ICD-11 Classification

Option	ICD-11
<input type="checkbox"/> One-click mode	01 Certain infectious or parasitic diseases
<input type="checkbox"/> Row border <input type="checkbox"/> shading	02 Neoplasms
<input type="checkbox"/> Pruning neighbor	03 Diseases of the blood or blood-forming organs
	04 Diseases of the immune system
	05 Endocrine, nutritional or metabolic diseases
	06 Mental, behavioural or neurodevelopmental disorders
	07 Sleep-wake disorders
	08 Diseases of the nervous system
	09 Diseases of the visual system
	10 Diseases of the ear or mastoid process
	11 Diseases of the circulatory system
	12 Diseases of the respiratory system
	13 Diseases of the digestive system
	14 Diseases of the skin
	15 Diseases of the musculoskeletal system or connective tissue
	16 Diseases of the genitourinary system
	17 Conditions related to sexual health
	18 Pregnancy, childbirth or the puerperium
	19 Certain conditions originating in the perinatal period
	20 Developmental anomalies
	21 Symptoms, signs or clinical findings, not elsewhere class.
	22 Injury, poisoning or certain other consequences of external causes
	26 Codes for special purposes
	International provisional assignment of new diseases of uncertain aetiology
	RA01 COVID-19
	H02398 COVID-19
	RA02 Post COVID-19 condition
	RA03 Multisystem inflammatory syndrome associated with COVID-19
	International provisional assignment of new diseases of uncertain aetiology

Pathway map

- hsa05171 (CORONAVIRUS DISEASE COVID19)



Network variation - nt06171 SARS coronavirus 2 (SARS-CoV-2)

Network entry	Network entry	Network entry	Network entry	Network entry	Network entry		
Entry	nt06171						
Name	SARS coronavirus 2 (SARS-CoV-2)						
Category	Disease virus: Viral infection						
Pathway	hsa05171 Coronavirus disease - COVID-19						
Genome	T4361						
Disease	H02398 COVID-19						
Display	<input type="checkbox"/> drug target relation <input type="checkbox"/> Disease type						
RLR signaling	nt06519	RNA	→ RIG2	→ MAVS	→ TRAF3	→ (TBK1+MAP3)+SIRT6AD... (TBK1+IKKε) → (IRF7,IRF3)	→ (PRNA,PNR1)
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							
nt06513							
nt06517							
nt06519							