

JPOST

AI 駆動大規模データ解析時代を見据えた質量分析データリポジトリの新展開

〇高橋悠志¹⁾, 吉沢明康¹⁾, 松田史生²⁾, 木下聖子³⁾, 石濱泰⁴⁾, 奥田修二郎¹⁾

Gyco

1) 新潟大学大学院医歯学総合研究科,2) 大阪大学大学院情報科学研究科,3) 創価大学大学院理工学研究科,4) 京都大学大学院薬学研究科

jPOST repository

https://repository.jpostdb.org

jPOST (Japan ProteOme STandard Japan Proteome Standard Repository / Database) はリポジトリ・

再解析・データベースから成るプロテオーム 統合データベースであり、その中でも jPOST

リポジトリは FAIR 原則に従って質量分析 データを寄託し、これを蓄積するための情報 基盤である。ウェブブラウザのみで完結する 直感的なユーザインタフェースを提供してお り、エンバーゴ機能や大容量ファイルの高速 分割アップロードが可能などの特徴を持つ。 2025年9月現在、約3,600プロジェクトが登 録済みであり、総データ量は 130 TB を超える。

Data and Methods) 誌にデータディスクリプ タ論文と共に投稿されたメタデータを活用す ることでプロテオームデータの再解析を加速 させる試みが開始されている。

近年では、JPDM (Journal of Proteome

GlycoPOST

https://glycopost.glycosmos.org POST リポジトリの設計を踏襲して

作られた GlycoPOST はグライコーム

における質量分析の生データリポジトリであ り、GlyCosmos プロジェクトで管理されてい る。GlycoPOST のメタデータは **MIRAGE**

(Minimum Information Required for A

たメタデータが入力できる。

Glycomics Experiment)ガイドラインに準拠 しており、現在 Sample Preparation、LC お よび Glycomics MS ガイドラインに用意され

近年、UniCarb-DR(グライコミクスの質量 分析のアノテーション済み同定結果のリポジ トリ)との連携も開始され、アノテーション ソフトウェアである GlycoWorkbench で作成 した同定結果ファイルが GlycoPOST に投稿さ れた場合にはプロジェクト公開後に自動的に UniCarb-DR にも登録されるようになった。

MB-POST

Shin-MassBank https://repository.massbank.jp

日本発の化合物リファレンス・マスス ペクトル・データベースである MassBank に

高品質なスペクトルデータを大幅に追加する ため、メタボロミクス領域では人間による curation のみに頼らずに大量のリファレンス・

スペクトルを収集するパイプラインの構築を 目指して 2023 年度より Shin-MassBank プロ ジェクトが開始された。 MB-POST (MassBank-POST) は jPOST リ

ポジトリや GlycoPOST と同様の設計を採用し ており、化合物を質量分析で測定した生デー タとその測定条件を記述するメタデータを格 納するリポジトリである。Shin-MassBank プ ロジェクトのパイプライン中で MB-POST は 投稿される測定データを一挙に引き受け、後 ろに控える MassBank Human や MassBank in silico、および MassBank Links へ受け渡す。

各リポジトリへのデータ投稿の流れ

ロプリセットの準備

- データの寄託を行うためには、最初に実験 に用いた試料や実験条件などの情報をメタ データとして登録する。

- 各種メタデータは「**プリセット**」というひ とまとまりの単位で登録する。過去に登録 されたプリセットは同じ条件で行った別の 実験データを投稿する際に再利用できる。

- 現在、各リポジトリには以下のプリセット のカテゴリが用意されている。
- jPOST リポジトリ
- Sample / Fractionation / EnzymeMod / MS mode
- **GlycoPOST** Sample preparation / Liquid chromatography /

General features / lon sources / lon transfer optics / Spectrum and peak list generation and annotation

MB-POST

Sample / Preparation / Analytical condition / Software setting

4プロジェクトのリバイス・プレビュー 公開 - 投稿されたプロジェクトを更新(ファイルの追 加・削除、メタデータ変更)したい場合、各リ

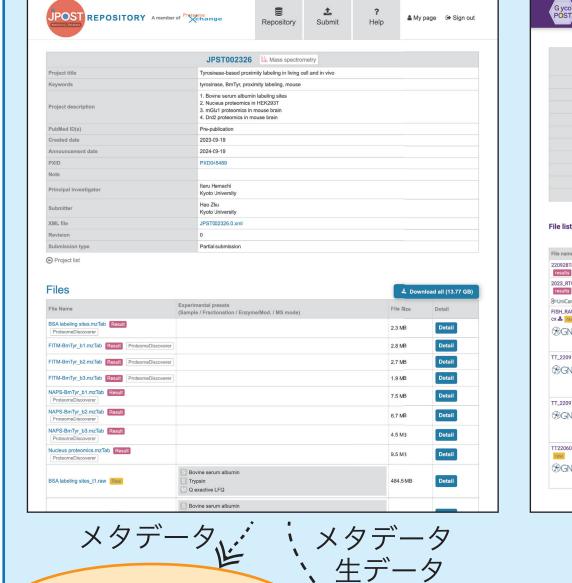
ポジトリの Mypage 画面で公開前のプロジェク トのリバイスが可能。

- Mypage ではジャーナルの査読用に公開前のプロ ジェクトのプレビュー用 URL も発行できる。

- 各リポジトリは「エンバーゴ (embargo)」機 能に対応しており、ジャーナルのレビュー終了 後にプロジェクトを公開するように公開日時を Mypage 上で自由に設定可能。

- 公開されたプロジェクト情報は再解析などの目 的などでも利用されている。





メタデータ メタデータ 生データ

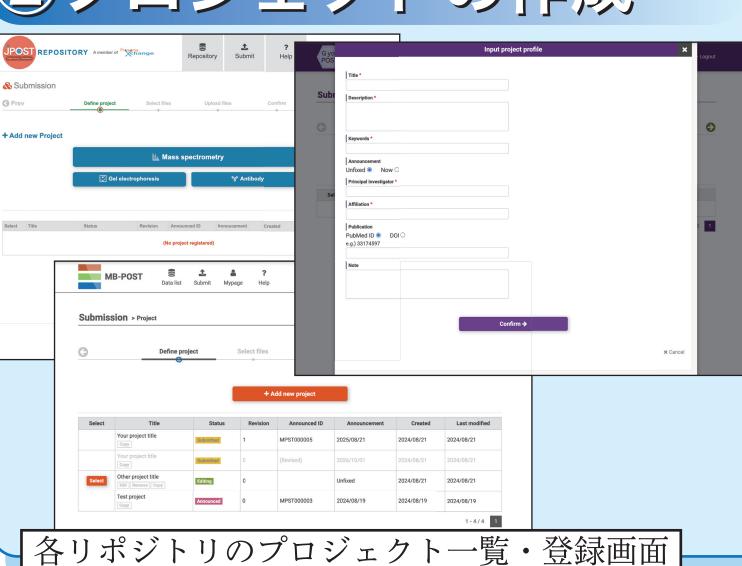
メタデータ 同定結果 JPDM ピークリスト 再解析パイプライン jPOST database

MassBank Links **UniCarb-DR**

MassBank Human Mass Bank

ピークリスト

2プロジェクトの作成



- 「**プロジェクト**」は投稿ファイルをまと める単位であり、「論文を書くために必 要なデータ一式」(Raw データ、ピーク リスト、同定結果)が格納される。

各リポジトリのプリセット一覧画面および jPOST リポジトリの Sample プリセット登録画面

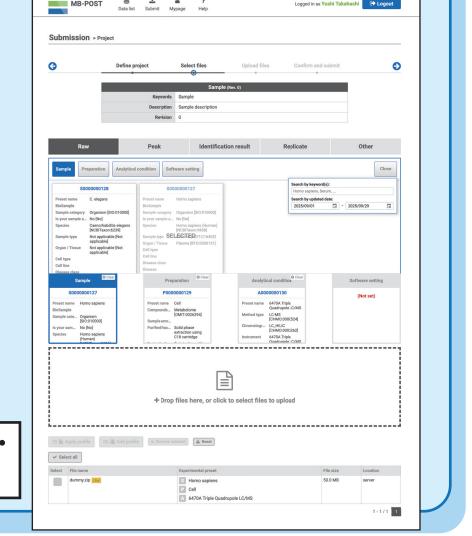
- 試料の生物種が異なる場合や実験条件が 大きく異なるなど、メタデータが大きく 異なる場合にはそれぞれを別個のプロ ジェクトとしても良い。

3ファイルへのメタデータ登録とアップロード

- プロジェクトに投稿ファイルを登録する際には、予め ① で定義しておいたプリセット(メタデータ)をドラッ グ&ドロップ主体の直感的なインタフェースを利用し て各ファイルに対応付けることができる。

- アップロード時には各ファイルは自動的に細かいチャ ンクに分割され、並列にアップロードされることで サーバーに高速転送される。

MB-POST のファイル選択・ プリセット選択画面

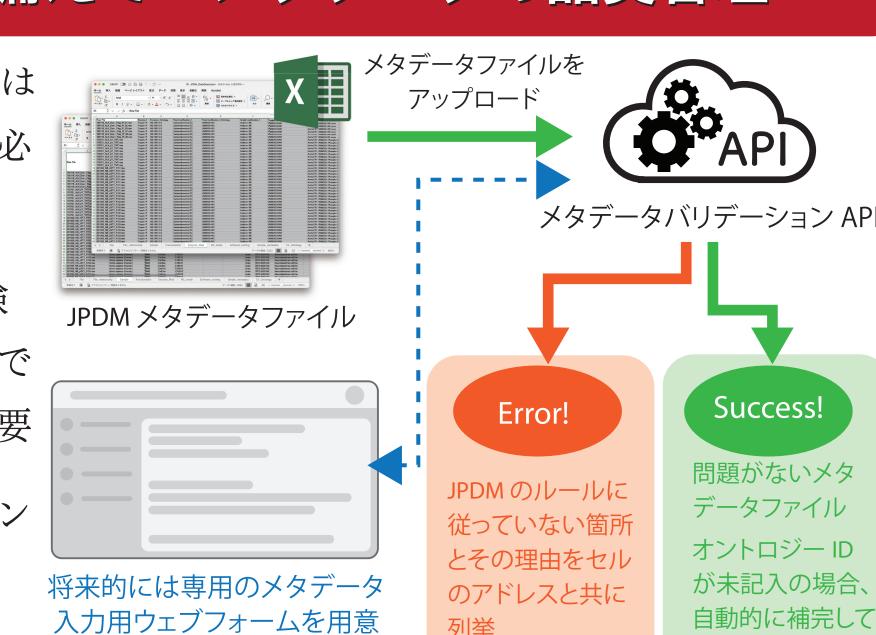


AI駆動データ解析時代に備えて:メタデータの品質管理 - JPDM メタデータを活用した再解析では

手作業でのメタデータ確認・微調整が必 要な場合が多いことが判明

- AI 技術を活用した大規模解析でも実験 データへの適切なメタデータ付与が要で あるため、メタデータの品質管理が重要

- そのため、メタデータのバリデーション システムの開発が現在進められている



謝辞



本研究・開発は科学技術振興機構(JST)・NBDC 事業推進室による 統合化推進プログラム予算によって実施した。

ファイル生成