

38 天然変性タンパク質データベース: *IDEAL* in 2025

Intrinsically Disordered proteins with Extensive Annotations and Literature

太田元規¹, 安保勲人², 佐久間航也¹, 嘉戸裕美子¹, 坂本盛宇³, 鹿間周子¹, 大安裕美¹,
高木大輔³, 山口敦子^{4,5}, 畠中秀樹⁵, 小池亮太郎¹, 廣明秀一¹, 本間桂一², 福地佐斗志²
(¹ 名大, ² 前工大, ³ (株) ホロニクス, ⁴ 都市大, ⁵ DBCLS)

IDEALってなに？

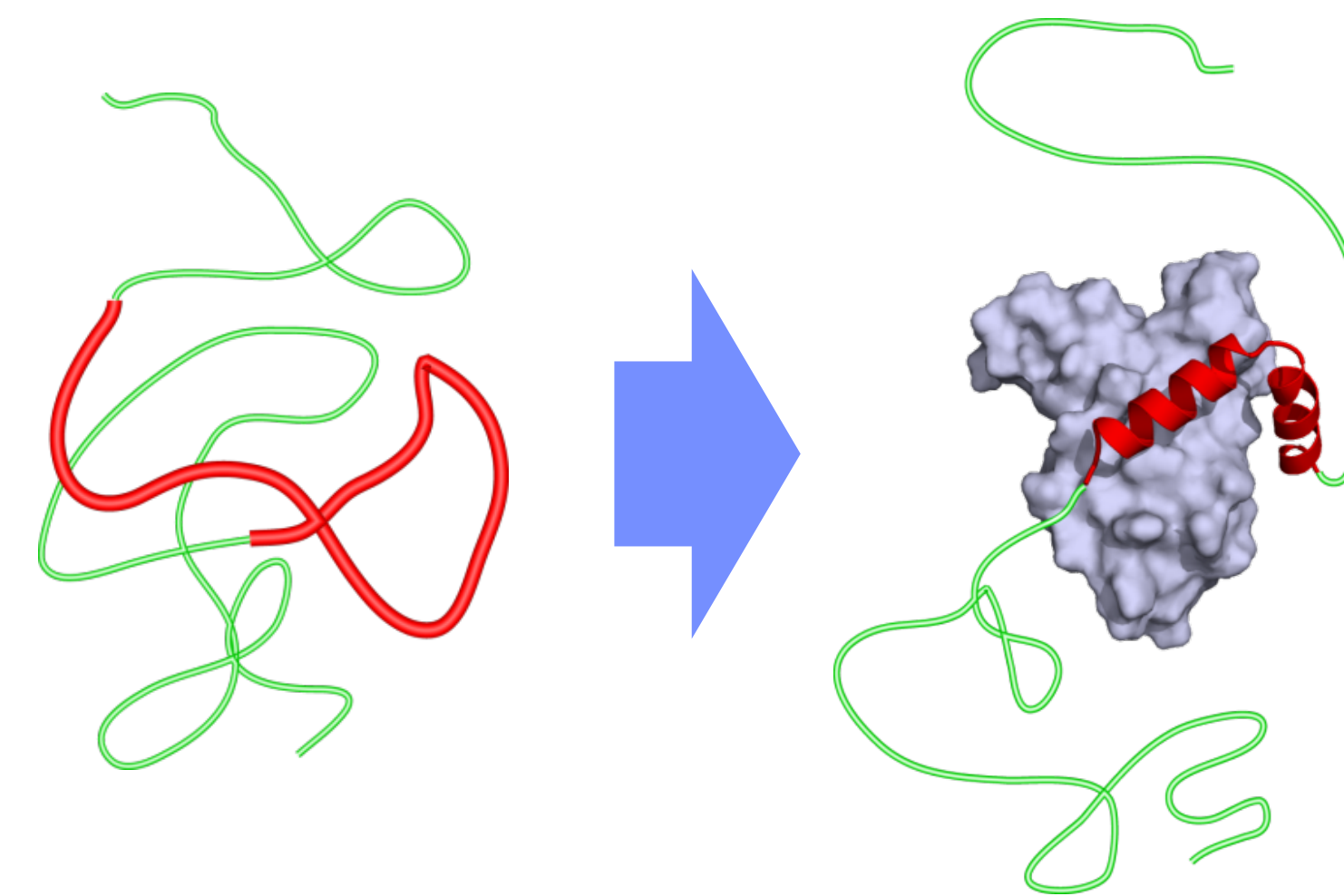
- ・天然変性タンパク質のデータベース
 - 2009年活動開始 (2011年公開)
 - 1,342 エントリ, 17,741 領域: 多くが**真核, 核内**
- ・天然変性領域中の相互作用領域 (ProS) を収集
 - 492 エントリにProSあり
- ・全データ, **マニュアルアノテーション**
- ・全コンテンツはXML, RDFでダウンロード可能

天然変性タンパク質ってなに？

形をとらない**天然変性領域**を持つタンパク質

機能: シグナル伝達, 転写制御など

多くの翻訳後修飾部位を持つ



天然変性領域にある機能部位
構造を形成し結合

Protein Segment

(ProS) として収集

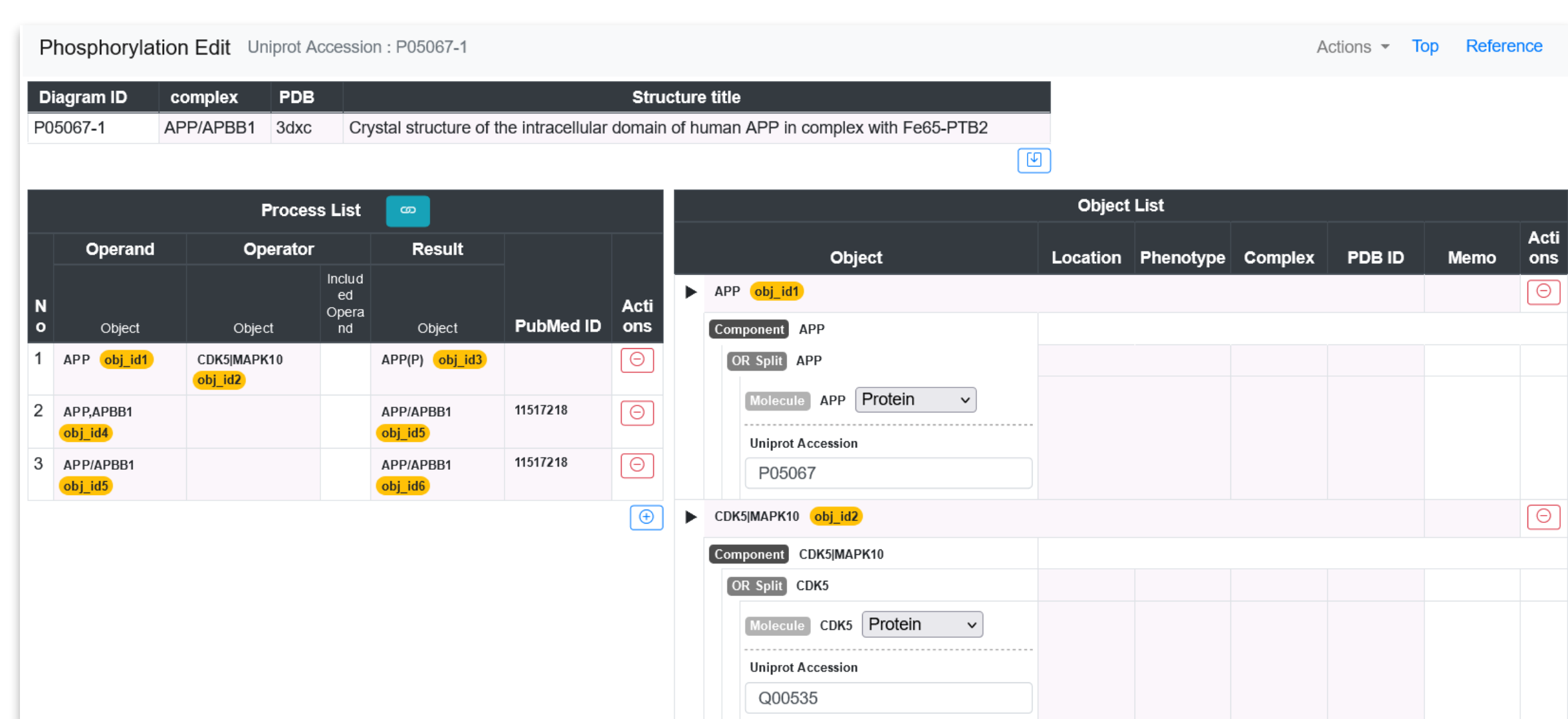
昨年**大リニューアル**
今年9月に**232新エントリ**公開

IDEALのめざすもの

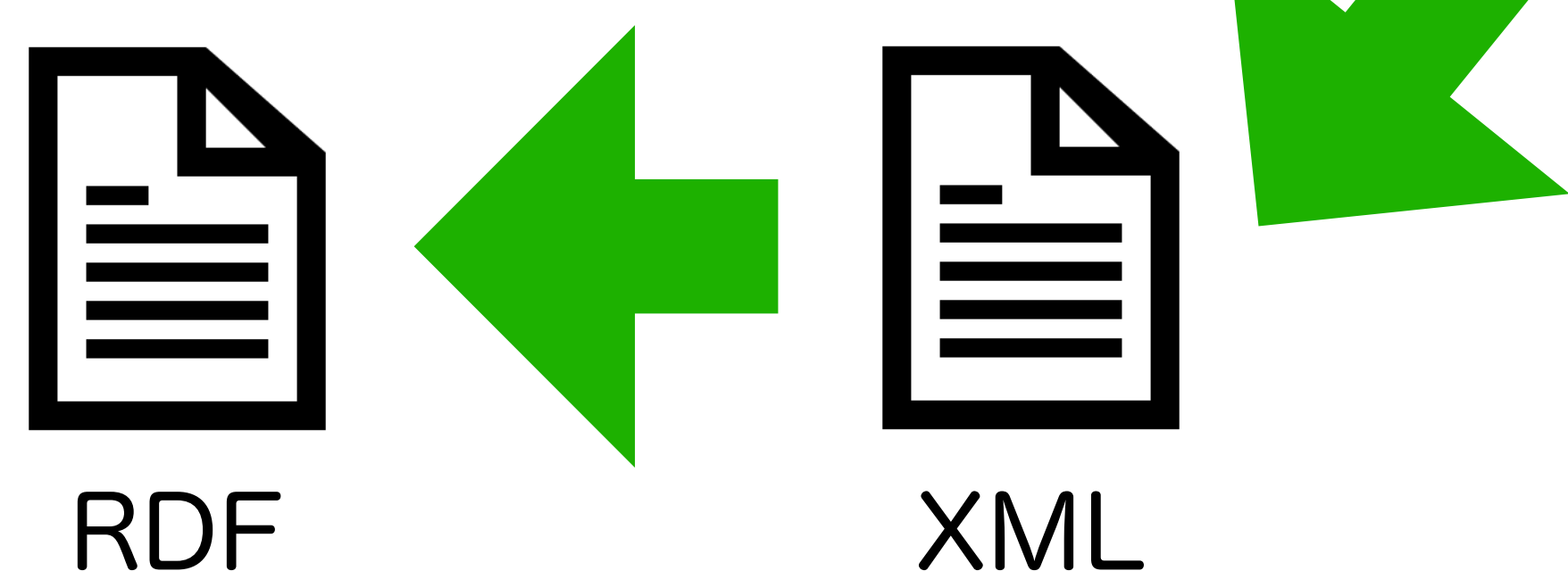
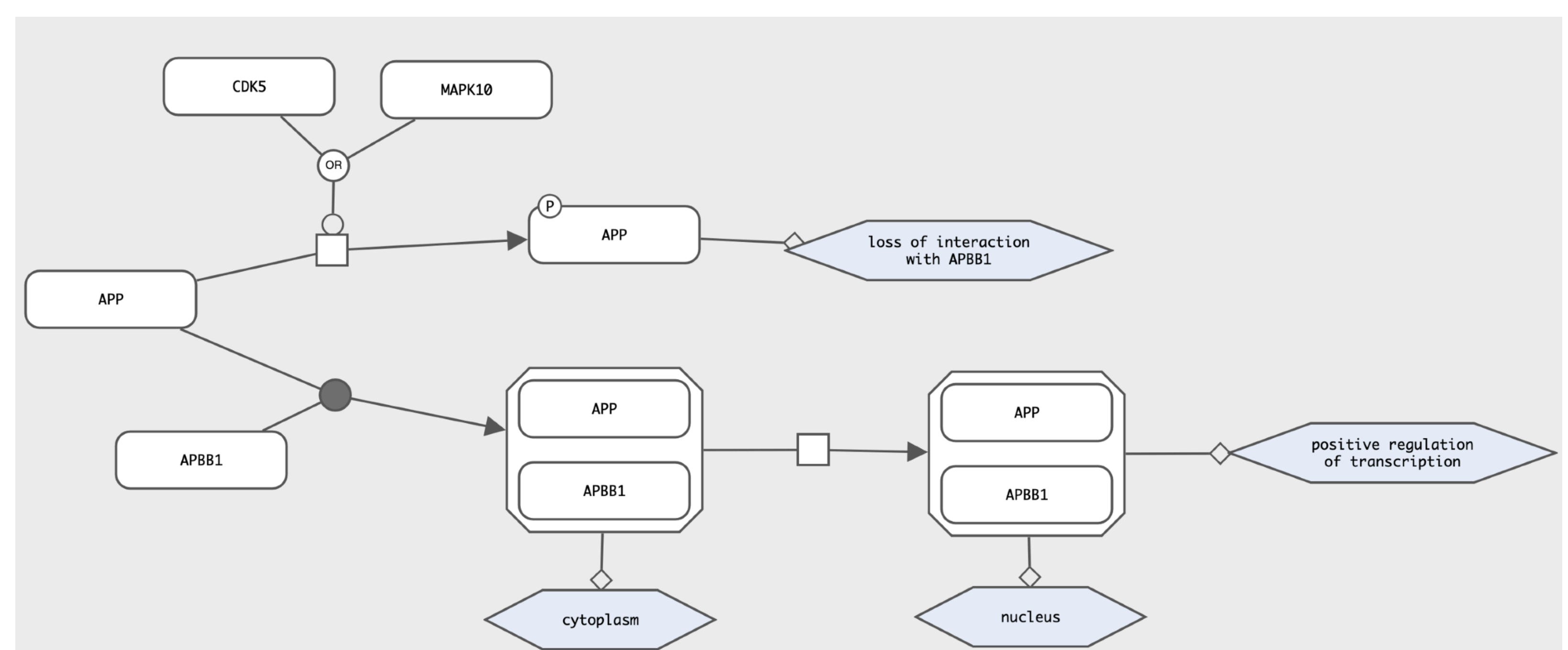
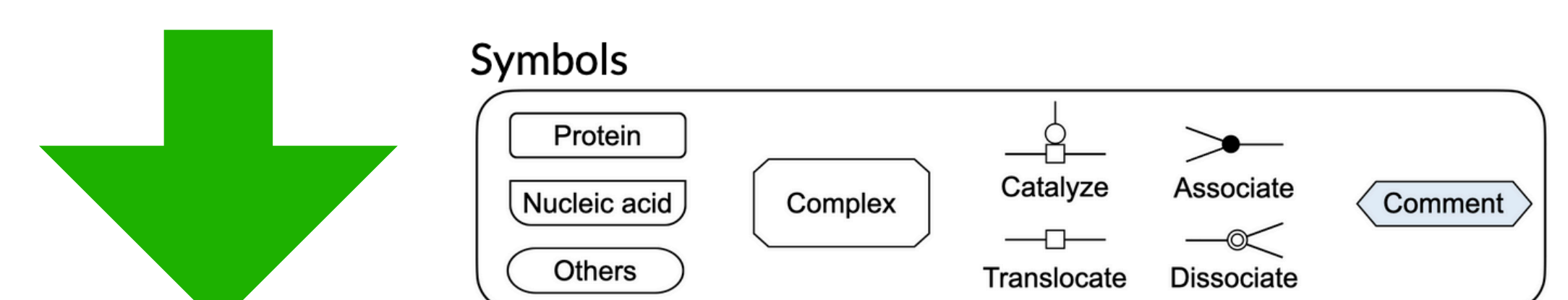
天然変性タンパク質の**構造と機能**を提示

機能する様子を**ダイアグラム**表示

バイオロジカルプロセス入力エディタを開発



ChiSE **グラフツール**
ChiSE is a library with an API based on [SBGNViz.js](#), which in turn is based on pathway models represented by process description (PD) and activity flow interaction format (SIF).



アノテータ

液滴関連DBとのリンク

IID00451

Uniprot | P35637
Protein | RNA-binding protein FUS
Gene | FUS
Organism | Homo sap.

Sequence | LLPS

LLPS databases
PhaSepDB
PhaSePro
LLPSDB
DrLLPS

イベントの**データ化・可視化・標準化**

(同じデータからは同じ図が描かれる)

今年度いっぱいまで活動停止予定

(最後にもう一度新規エントリ公開します!)

情報提供の維持方法などを検討中