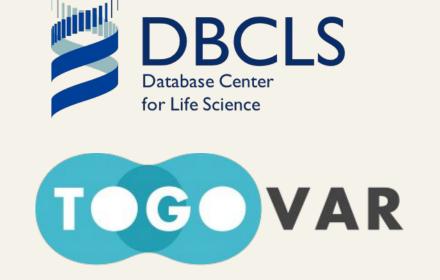
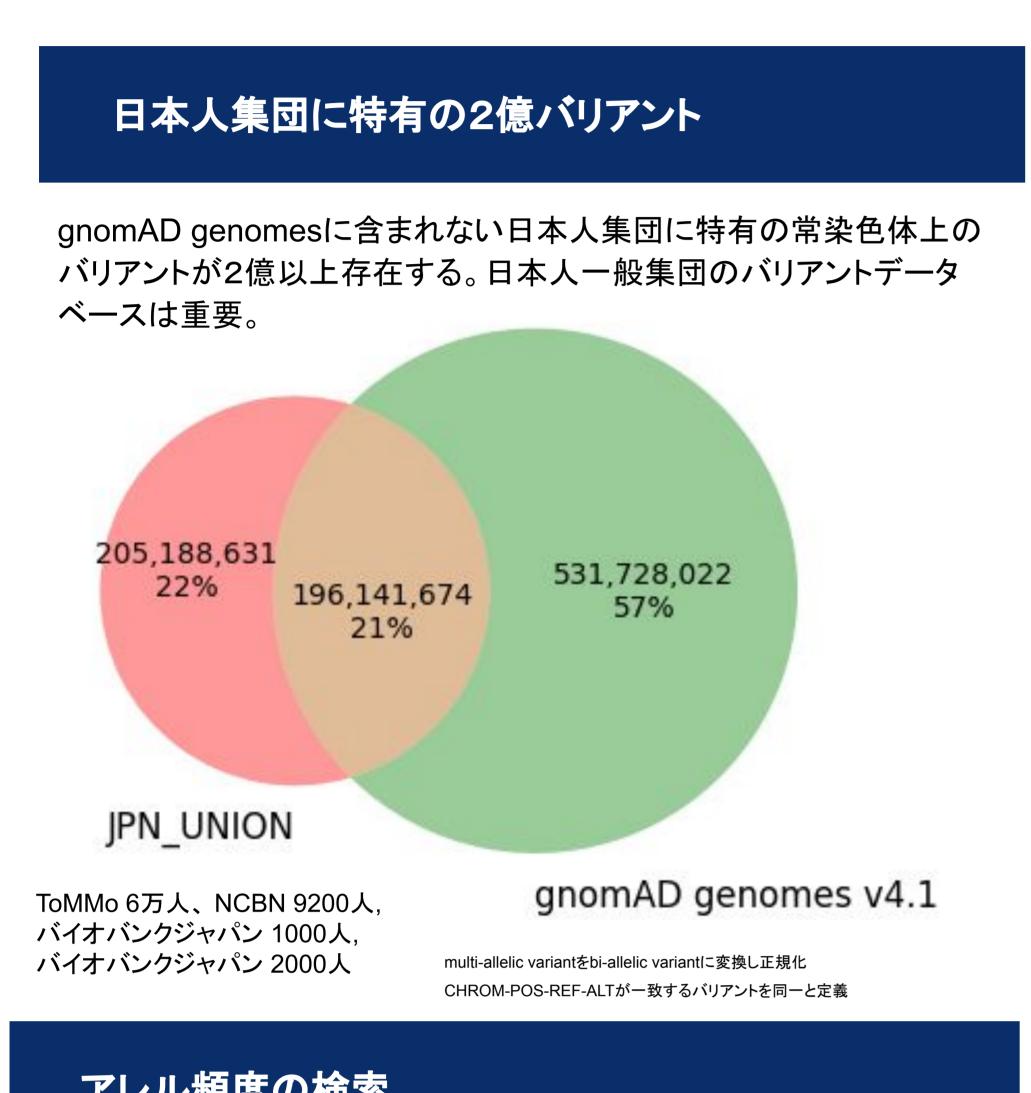
Togo Varの更新: 国内データベースとの連携強化



三橋信孝、守屋勇樹、川嶋実苗、細田正恵、川島秀一、片山俊明 ライフサイエンス統合データベースセンター (DBCLS)

TogoVar(https://togovar.org)とは

- ・日本人を中心に特定の疾患等に偏らない一般集団でのヒトゲノムバリアント(個人による違い)の頻度データを収載したデータベース
- バイオバンク・ジャパンや東北メディカル・メガバンクなど、数千人から数万人規模の様々なゲノム研究で得られた頻度を比較可能
- DBCLS RDFポータル収載のRDFデータ(文献情報、バリアントの臨床的意義、関連解析結果等)等を用いてバリアントにアノテーション

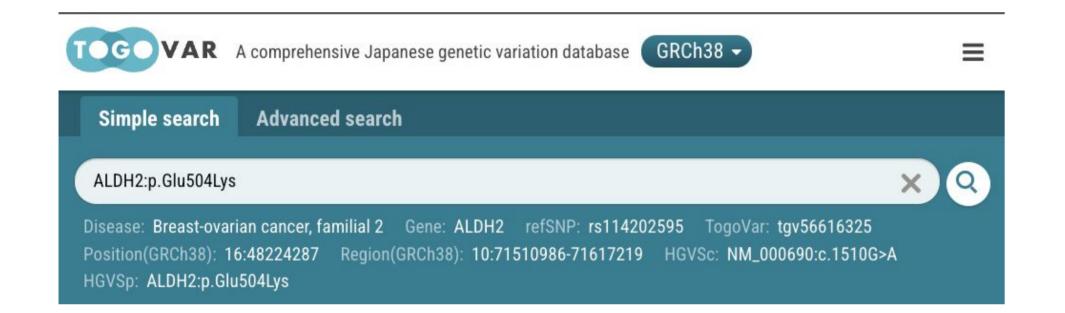


TogoVarに収載された日本人および非日本人集団のアレル頻度データ

サンプル数	解析手法	参照ゲノム	データセットの説明
183,884	SNPアレイ	GRCh37	JGAに寄託されたSNPアレイデータ
		GRCh38*	(主にバイオバンクジャパンから)
125 WE	WES	GRCh37	JGAに寄託された全エクソンシーケンスを再解析
	***	GRCh38*	
78	WGS	GRCh38	JGAに寄託された全ゲノムシーケンスを再解析
7,609		GRCh37	AMED GEM Japan プロジェクト(ToMMo、いわて東北メディ
	WGS	GRCh38*	カル・メガバンク機構(IMM)、理研、東大医科研の共同研究)
4 000	\A/E0	000107	
1,208	WES	GRCh37	京都大学ながはま0次コホートなど
11,794 WGS	WGS	GRCh38 ナショナルセンター・バイオバンク ネットワークと1000 Genomes データのJoint calling	
	******		Genomes データのJoint calling
8,380	WGS	GRCh37	東北メディカル・メガバンク機構 (ToMMo)
54,302		GRCh38	
15,708	WGS WES	GRCh37	East Asian, Europeanなど8遺伝的祖先集団のアレル頻度
125,748			
76,156	WGS	GRCh38	East Asian, Europeanなど10遺伝的祖先集団のアレル頻度
730,947	WES		
	125 78 7,609 1,208 11,794 8,380 54,302 15,708 125,748 76,156	183,884 SNPアレイ 125 WES 78 WGS 7,609 WGS 1,208 WES 11,794 WGS 8,380 WGS 54,302 15,708 WGS 125,748 WES 76,156 WGS	183,884 SNPプレイ GRCh37 GRCh38* 125 WES GRCh37 GRCh38* 78 WGS GRCh38 7,609 WGS GRCh37 GRCh38* 1,208 WES GRCh37 GRCh38* 11,794 WGS GRCh37 54,302 WGS GRCh37 GRCh38 15,708 WGS GRCh38 125,748 WES GRCh37 76,156 WGS GRCh38

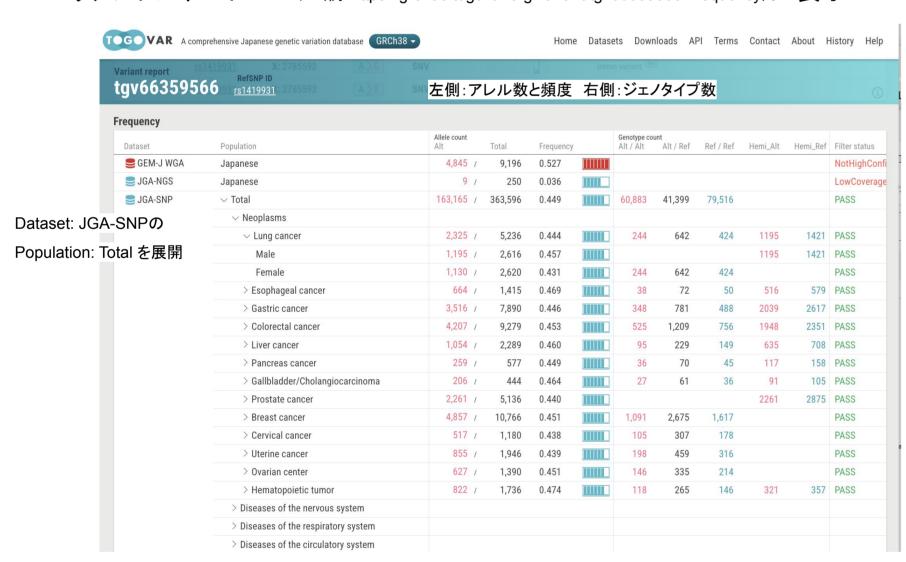
GRCh38*: GRCh37座標のliftover (transanno利用)によりGRCh38座標を計算 gnomAD以外のデータセットは日本人集団を対象

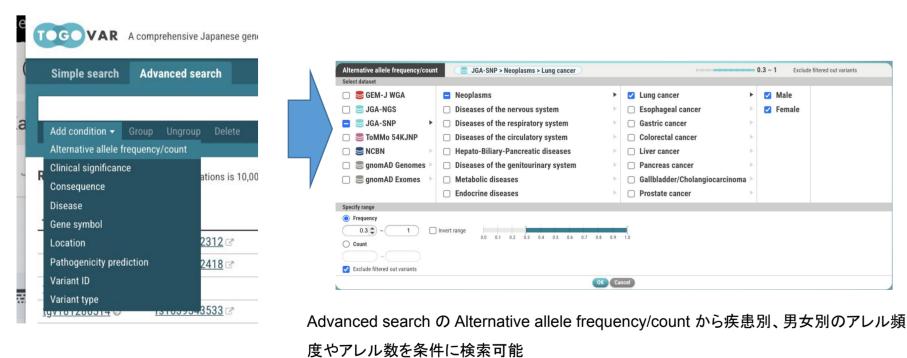
アレル頻度の検索



BBJ 45疾患別のアレル・ジェノタイプ数

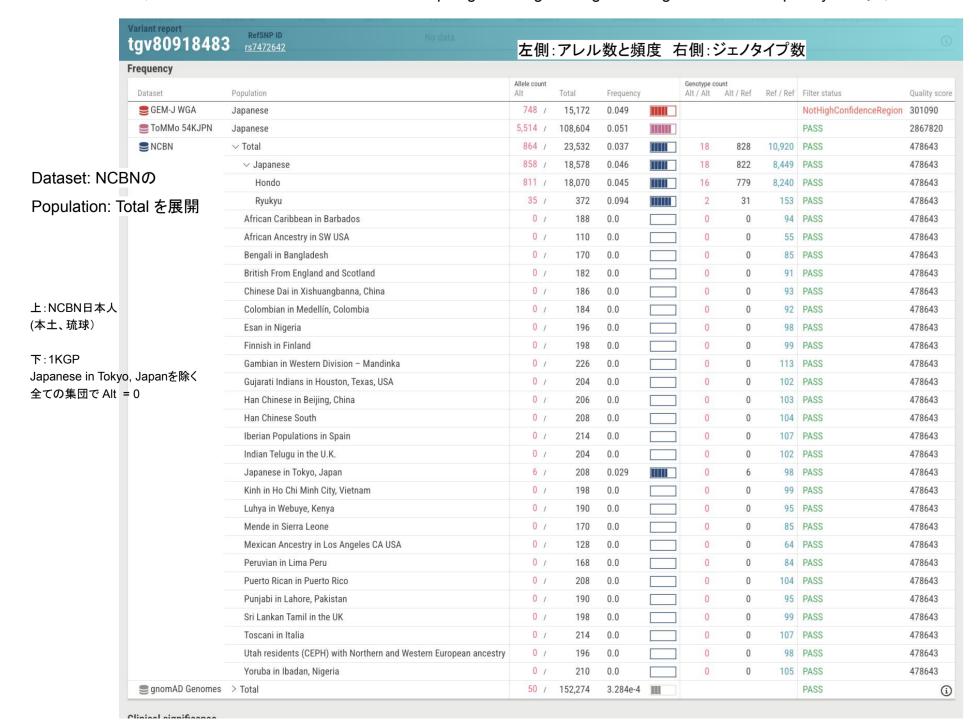
バリアントレポートページ(例:https://grch38.togovar.org/variant/tgv66359566#frequency)に表示





NCBN日本人9千人と1KGP 2.5千人のジョイントコール

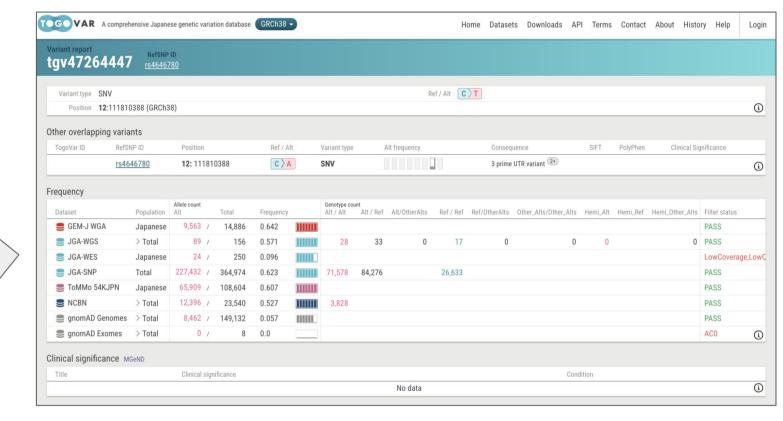
バリアントレポートページ(例:https://grch38.togovar.org/variant/tgv80918483#frequency)に表示



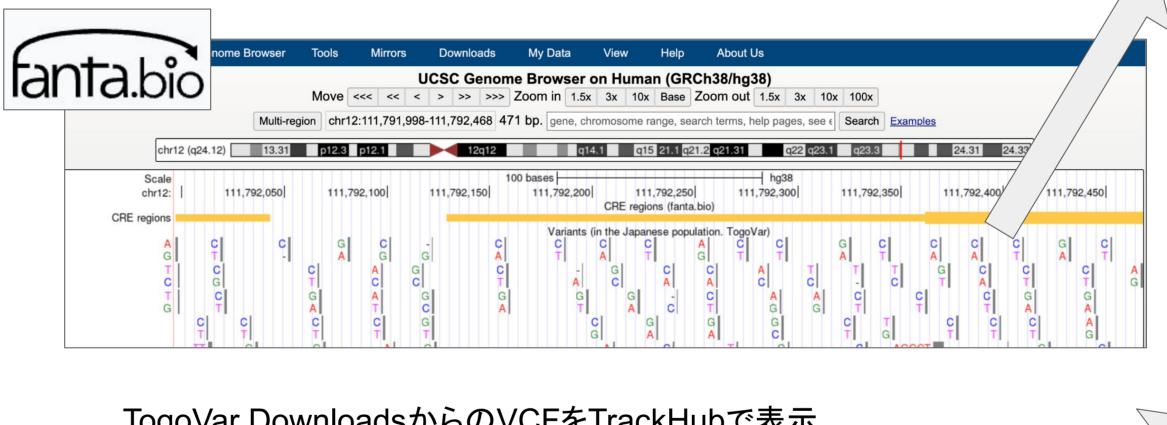
国内データベースとの連携例

Joint Open Genome and Omics Platform (JoGo) □ JoGo Online Haplotype Explorer ALDH2_chr12_111761933_111822532 ACTG: ALDH2_chr12_111761933_111822532 ハプロタイプに含まれるバリアント Search IDs: a0001c0001t0004: CCCCTACGGTCCT.GAATCCGCCCCCC 001t0007: CCCCTACGGTCCC.TAATCCGCCAACGACCGTTGGTATGGCAACGA<mark>T</mark>CAGACCACCAGTGCCAAGGCAA<mark>+</mark>TT<mark>A</mark>TTTTTTGCG(001t0008: CCCCTACGGTCCC<mark>-</mark>TAATCCGCCAACGACCG<mark>G</mark>T<mark>A</mark>GTATGGCAA<mark>G</mark>GACCAGACCACCAGTGCCAAGG<mark>d</mark>AATT<mark>A</mark>TTTTTTTGCG(001t0009: CCCCTACGGTCC<mark>T.G</mark>AATCCGCC<mark>-C</mark>CGACCG<mark>G</mark>TGGTA<mark>C</mark>GGCAACG<mark>G</mark>CCAGA<mark>TC-</mark>CCAGTGCC<mark>-G</mark>GGCA<mark>T</mark>TTTTTTT+TGCG

バリアントの詳細情報(アレル頻度、臨床的意義、関連 解析結果、文献情報など)



染色体番号-塩基番号-REF塩基-ALT塩基 https://grch38.togovar.org/variant/chr12-111810388-C-T



JoGoで決定した構造多型をTogoVarから公開準備中

cis-regulatory element (CRE) 周辺の

GlyCosmos Portal

PubMed ID

GlyTouCan ID

6× 0 ?

2× ?

G03238UC

G90382BL

Source

GlyGen

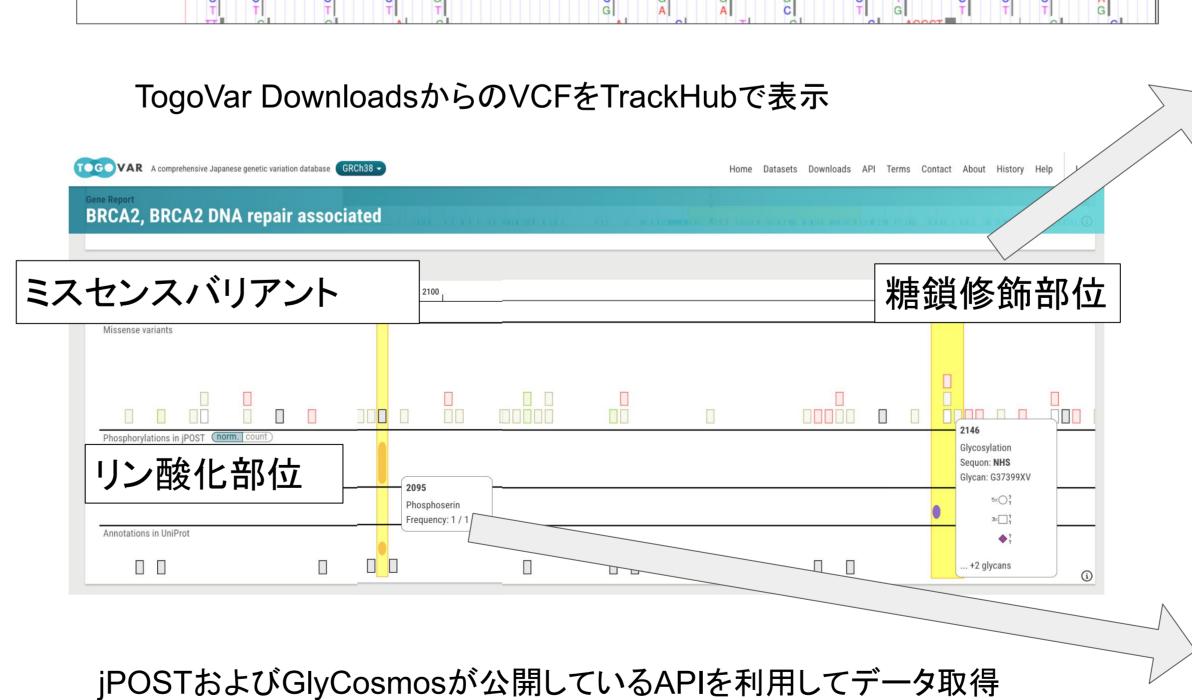
Glycosylation Sites

Displaying all 3 entries

Description

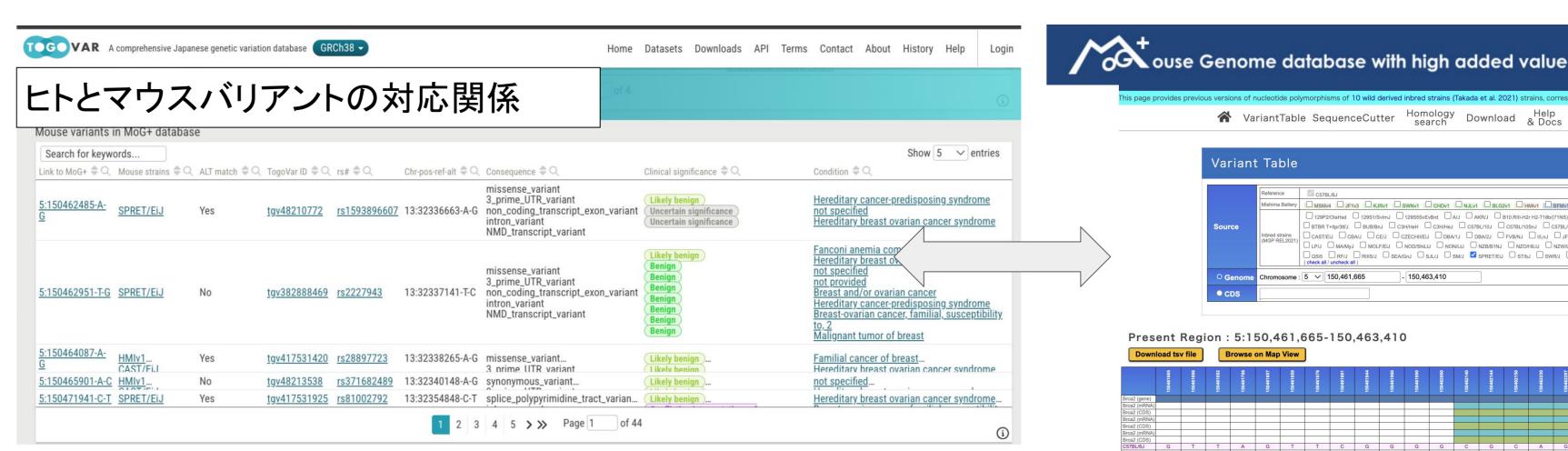
Variant Table

Present Region: 5:150,461,665-150,463,41



JPOST Protein ID

★ VariantTable SequenceCutter Homology search Download & Help & Docs (NIG_MoG data)



マウスGRCm39座標でTogoVarのヒトバリアントを検索できるAPIを開発し、MoG+からTogoVarのバリアントへもリンク可能 (現在はMoG+からTogoVarの遺伝子ページへリンク済み)

Retrieve variants

1KGPとのジョイントコールによって、日本人集団にのみ存在するバリアン