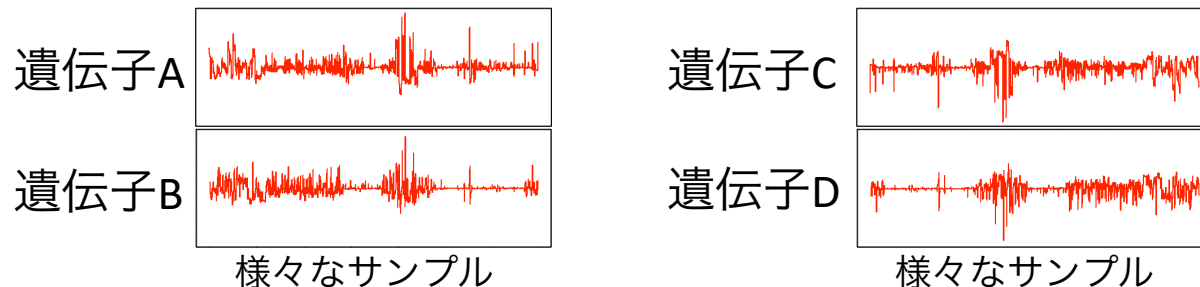


http://coxpresdb.jp



発現プロファイルが似ている遺伝子関係を提示するデータベース

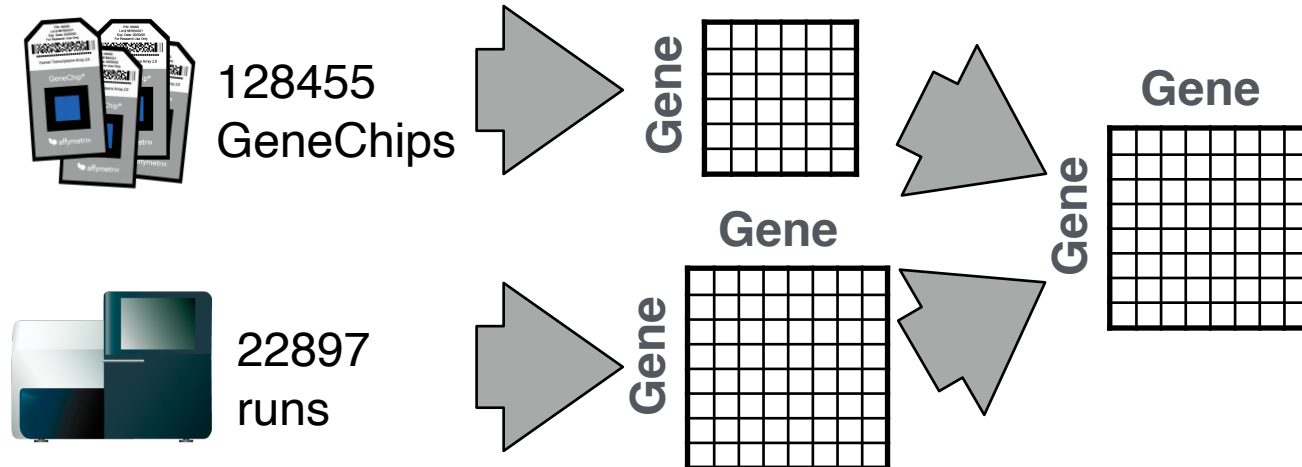


公共の遺伝子発現量データ

共発現データ

種内統合した  
共発現データ

ヒトの場合



## ガイド遺伝子と共発現する遺伝子のリスト

注目している共発現データ

プラットフォーム比較

種間比較

Gene	Supportability*	hsa-u.2 for CD3D	hsa-m.6 for CD3D [list] ☆☆☆	hsa-m.2.3 for CD3D [list] ☆☆☆	hsa-r.4 for CD3D [list] ☆☆☆	Link	mcc-u.2 for CD3D [list] ☆☆☆	mmu-u.2 for Cd3d [list] ☆☆☆	rno-u.2 for Cd3d [list] ☆☆☆	cfa-u.2 for CD3D [list] ☆☆☆	gga-u.2 for CD3D [list] ☆☆☆
0 CD3D	☆☆☆	0.0	0.0	0.0	0.0		0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
1 CD3G	☆☆☆	5.0	5.6	4.8	3.1		981.0	1.3	38.1	23.1	
2 CD2	☆☆☆	7.7	7.0	12.7	5.9		1328.2	35.7	516.5	340.1	3870.2
3 TRBC1	☆☆☆	20.5	5.8	18.4							
4 CD3E	☆☆☆	22.9	99.0	2.6	3.6		1230.1	11.5	83.3	249.2	90.8
5 LCK	☆☆☆	63.0	54.5	40.6	49.8		2258.6	206.0	633.6	911.1	1783.1
6 GZMK	☆☆☆	69.7	48.6	151.7	68.5		7007.9	1230.7	3596.1	2275.8	
7 SH2D1A	☆☆☆	72.5	71.8	159.8	50.2		2243.5	59.6	814.1	2740.2	3982.6
8 ITK	☆☆☆	78.1	50.0	96.7	83.5		2992.5	104.3	4068.0	2934.3	2431.5
9 TRAT1	☆☆☆	85.4	95.2	91.0	52.4		4008.0	579.7	2293.8	3129.7	1378.6
10 CD8B	☆☆☆	88.3	101.6	39.6	52.5		4589.6	10.5	685.5	6137.6	1388.3
11 GZMA	☆☆☆	89.6	76.4	289.3	71.9		9522.2	644.9	7490.5	2820.9	3029.0
12 CD8A	☆☆☆	91.9	47.0	40.4	122.9		4093.3	72.9	290.5	2885.5	1386.4
13 UBASH3A	☆☆☆	107.9	61.8	81.8	129.0		3462.9	970.0	3976.3	2281.9	1413.6

## 共発現ネットワークの描画

