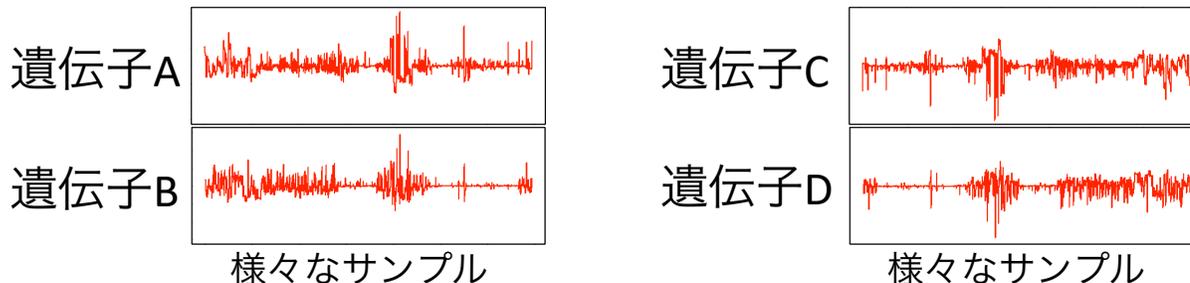


http://coxpresdb.jp

発現プロファイルが似ている遺伝子関係を提示するデータベース

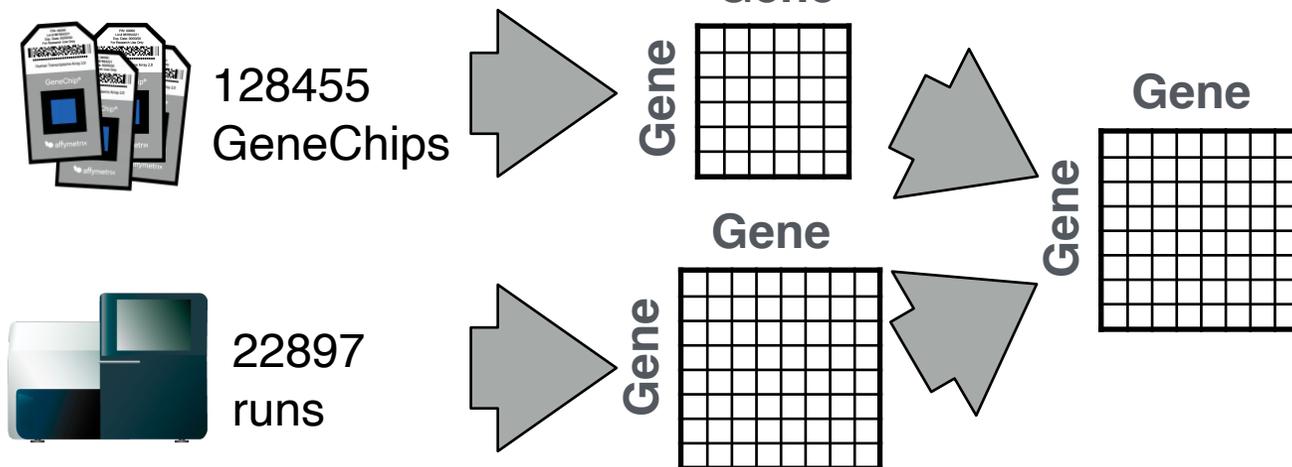


公共の遺伝子発現量データ

共発現データ

種内統合した
共発現データ

ヒトの場合



ガイド遺伝子と共発現する遺伝子のリスト

注目している共発現データ

プラットフォーム比較

種間比較

| Gene | Supportability* | hsa-u.2 | hsa-m.6 | hsa-m.2.3 | hsa-r.4 | Link | mcc-u.2 | mmu-u.2 | rno-u.2 | cfa-u.2 | gga-u.2 |
|------------|-----------------|----------|----------|-----------|----------|------|----------|----------|----------|----------|----------|
| | | for CD3D | for CD3D | for CD3D | for CD3D | | for CD3D |
| 0 CD3D | ☆☆☆ | 0.0 | 0.0 | 0.0 | 0.0 | | 0.0 | 0.0 | 0.0 | 0.0 | 0.0 |
| 1 CD3G | ☆☆☆ | 5.0 | 5.6 | 4.8 | 3.1 | | 981.0 | 1.3 | 38.1 | 23.1 | |
| 2 CD2 | ☆☆☆ | 7.7 | 7.0 | 12.7 | 5.9 | | 1328.2 | 35.7 | 516.5 | 340.1 | 3870.2 |
| 3 TRBC1 | ☆☆☆ | 20.5 | 5.8 | 18.4 | | | | | | | |
| 4 CD3E | ☆☆☆ | 22.9 | 99.0 | 2.6 | 3.6 | | 1230.1 | 11.5 | 83.3 | 249.2 | 90.8 |
| 5 LCK | ☆☆☆ | 63.0 | 54.5 | 40.6 | 49.8 | | 2258.6 | 206.0 | 633.6 | 911.1 | 1783.1 |
| 6 GZMK | ☆☆☆ | 69.7 | 48.6 | 151.7 | 68.5 | | 7007.9 | 1230.7 | 3596.1 | 2275.8 | |
| 7 SH2D1A | ☆☆☆ | 72.5 | 71.8 | 159.8 | 50.2 | | 2243.5 | 59.6 | 814.1 | 2740.2 | 3982.6 |
| 8 ITK | ☆☆☆ | 78.1 | 50.0 | 96.7 | 83.5 | | 2992.5 | 104.3 | 4068.0 | 2934.3 | 2431.5 |
| 9 TRAT1 | ☆☆☆ | 85.4 | 95.2 | 91.0 | 52.4 | | 4008.0 | 579.7 | 2293.8 | 3129.7 | 1378.6 |
| 10 CD8B | ☆☆☆ | 88.3 | 101.6 | 39.6 | 52.5 | | 4589.6 | 10.5 | 685.5 | 6137.6 | 1388.3 |
| 11 GZMA | ☆☆☆ | 89.6 | 76.4 | 289.3 | 71.9 | | 9522.2 | 644.9 | 7490.5 | 2820.9 | 3029.0 |
| 12 CD8A | ☆☆☆ | 91.9 | 47.0 | 40.4 | 122.9 | | 4093.3 | 72.9 | 290.5 | 2885.5 | 1386.4 |
| 13 UBASH3A | ☆☆☆ | 107.9 | 61.8 | 81.8 | 129.0 | | 3462.9 | 970.0 | 3976.3 | 2281.9 | 1413.6 |

共発現ネットワークの描画

