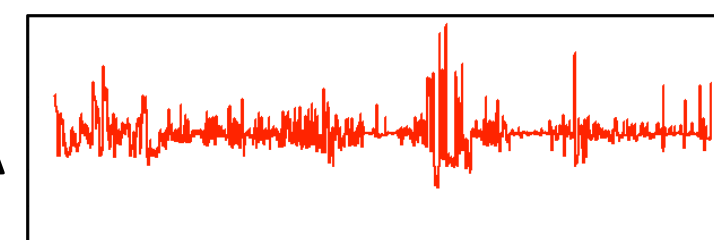


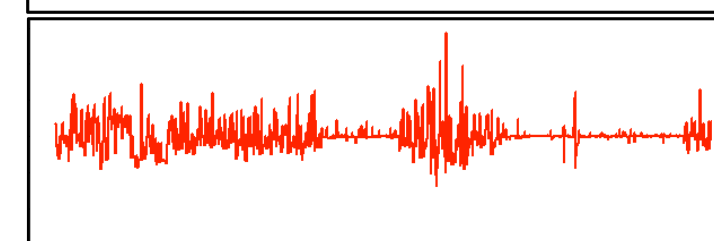
http://coxpresdb.jp

発現プロファイルが似ている遺伝子関係を提示するデータベース

遺伝子A

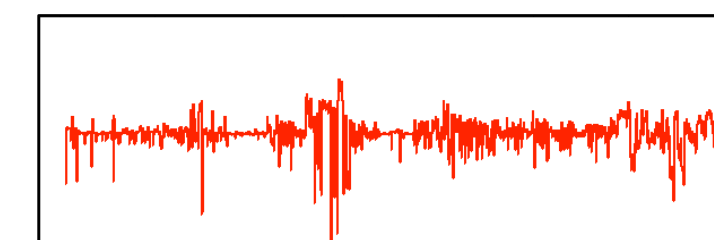


遺伝子B

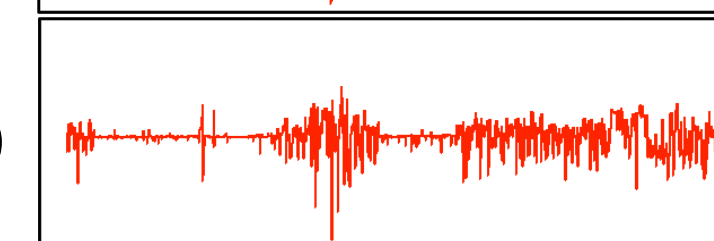


様々なサンプル

遺伝子C



遺伝子D



様々なサンプル

公共の遺伝子発現量データ

共発現データ

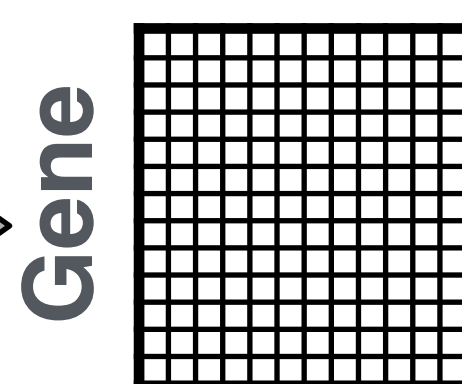
種内統合した
共発現データ

ヒトの場合
128455
GeneChips22897
runs

Gene

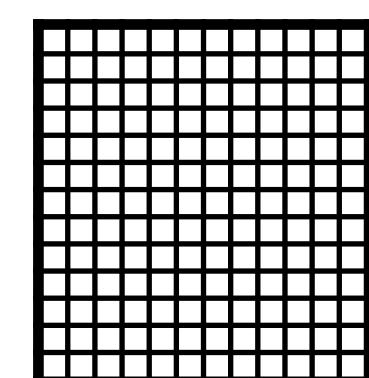


Gene



Gene

Gene



ガイド遺伝子と共発現する遺伝子のリスト

注目している共発現データ

プラットフォーム比較

種間比較

	Gene	Supportability [*]	hsa-u.2 for CD3D	hsa-m.6 for CD3D [list] ☆☆☆	hsa-m2.3 for CD3D [list] ☆☆☆	hsa-r.4 for CD3D [list] ☆☆☆	Link	mcc-u.2 for CD3D [list] ☆☆☆	mmu-u.2 for Cd3d [list] ☆☆☆	rno-u.2 for Cd3d [list] ☆☆☆	cfa-u.2 for CD3D [list] ☆☆☆	gga-u.2 for CD3D [list] ☆☆☆
0	CD3D	☆☆☆	0.0	0.0	0.0	0.0		0.0	0.0	0.0	0.0	0.0
1	CD3G	☆☆☆	5.0	5.6	4.8	3.1		981.0	1.3	38.1	23.1	
2	CD2	☆☆☆	7.7	7.0	12.7	5.9		1328.2	35.7	516.5	340.1	3870.2
3	TRBC1	☆☆☆	20.5	5.8	18.4							
4	CD3E	☆☆☆	22.9	99.0	2.6	3.6		1230.1	11.5	83.3	249.2	90.8
5	LCK	☆☆☆	63.0	54.5	40.6	49.8		2258.6 5089.9	206.0 2065.4	633.6 3355.1	911.1 7231.9	1783.1 3925.5
6	GZMK	☆☆☆	69.7	48.6	151.7	68.5		7007.9	1230.7	3596.1	2275.8	
7	SH2D1A	☆☆☆	72.5	71.8	159.8	50.2		2243.5	59.6	814.1	2740.2	3982.6
8	ITK	☆☆☆	78.1	50.0	96.7	83.5		2992.5	104.3	4068.0	2934.3	2431.5
9	TRAT1	☆☆☆	85.4	95.2	91.0	52.4		4008.0	579.7	2293.8	3129.7	1378.6
10	CD8B	☆☆☆	88.3	101.6	39.6	52.5		4589.6	10.5	685.5	6137.6	1388.3
11	GZMA	☆☆☆	89.6	76.4	289.3	71.9		9522.2	644.9	7490.5	2820.9	3029.0
12	CD8A	☆☆☆	91.9	47.0	40.4	122.9		4093.3	72.9	290.5	2885.5	1386.4 4840.4
13	UBASH3A	☆☆☆	107.9	61.8	81.8	129.0		3462.9 9216.4	970.0 12363.3	3976.3 8225.1	2281.9 11553.0	1413.6 10055.2

共発現ネットワークの描画

オーソログがない

パラログの片方しか
共発現していない例

太さは共発現強度

PPIも表示

