



開催情報を
メルマガで
お知らせします

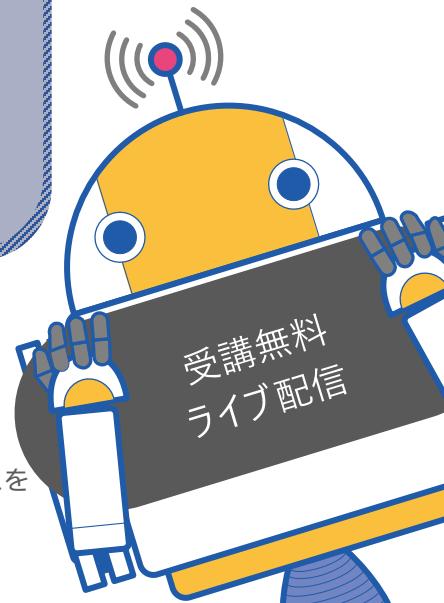


登録フォーム

AJACS

2025年度
開催日程

データ解析講習会: AJACS(あじやっくす)は、
生命科学分野における解析ツール・公共データベースを
活用する知識・技術を習得できる
研究者向け講習会です



2025
05.22
AlphaFold等の
タンパク質立体構造予測ツール
を知って・学んで・使う

東京科学大学
大上 雅史 氏
東京科学大学
古井 海里 氏

2025
06.26
生命科学分野における
ナレッジグラフとオントロジー
を知って・学んで・使う

DBCLS
川島 秀一 氏
DBCLS
池田 秀也 氏
DBCLS
藤原 豊史 氏

2025
11.18
科学研究を加速させる
ChatGPT等の生成AIツール
を知って・学んで・使う

fuku株式会社
山田 涼太 氏
国立精神・神経医療研究センター
松井 健太郎 氏

2025
12.18
空間
トランскриプトーム解析
を知って・学んで・使う

京都大学
VANDENBON Alexis 氏
東京大学
酒井 俊輔 氏

2026
01.22
日本人ゲノムバリアント
解析ツール
を知って・学んで・使う

株式会社ゲノムアナリティクスジャパン
八谷 剛史 氏
DBCLS
三橋 信孝 氏

お問い合わせ: JST NBDC事業推進室 AJACS@biosciencedbc.jp

主催: 国立研究開発法人科学技術振興機構 (JST)
共催: 大学共同利用機関法人情報・システム研究機構 データサイエンス共同利用基盤施設
ライフサイエンス統合データベースセンター (DBCLS)



過去のAJACS講義一覧 FY2022- 2024



講義の動画や投影したスライドは、すべてウェブ公開しています。
自習、復習にお役立てください。

biosciencedbc.jp
/event/ajacs

講義日	件名	講師
2022/7	figshareなどのデータ・図表リポジトリを使って研究データを適切に共有する	田村 啓太 広島大学
2022/7	文献管理ツールを使って研究の進展とアウトプットを加速する	成川 礼 東京都立大学
2022/8	パスウェイデータベースを使ってゲノムを理解する	奥田 修二郎 新潟大学
2022/8	イメージングデータベースに画像を登録し、画像を活用する	糸賀 裕弥 理化学研究所
2022/11	化合物データベース PubChem、ChEMBL、ChEBI を使ってみる	櫛田 達矢 理化学研究所
2022/11	メタボロームデータベースを用いて代謝を理解する	津川 裕司 東京農工大学
2022/12	ブラウザ上でRNA-seqデータを解析する	安水 良明 大阪大学
2023/1	UCSC Genome Browserの豊富なツールを理解する	森岡 勝樹 理化学研究所
2023/1	BLAT、In-Silico PCRを使って配列を検索する/Gene Sorter を使って発現データを解析する	森岡 勝樹 理化学研究所
2023/1	Track Hubを使ってオリジナルデータと公共データを比較した図を作成する	森岡 勝樹 理化学研究所
2023/7	最新の文献検索方法を知る	山本 泰智 DBCLS
2023/7	オープンサイエンスの潮流と学術出版の多様化:プレプリントと研究データにどう向き合うか	林 和弘 NISTEP
2023/8	プロテオームデータの解析とマルチオミクスへの活用	松本 雅記 新潟大学
2023/8	メタボロームデータ解析と活用法:データベースとオンラインツールの使い方	早川 英介 理化学研究所
2023/11	オンラインツール PlotsOfData による箱ひげ図の作成	別所-上原 学 名古屋大学
2023/11	Posit Cloud (旧:RStudio Cloud) を用いて生物配列データ解析に取り組む	鈴木 治夫 慶應義塾大学
2024/6	生成AIの可能性と課題～賢く使いこなすために～	山田 涼太 fuku株式会社
2024/6	研究効率化の鍵は生成AI～文献調査・資料作成を加速するサービス～	山田 涼太 fuku株式会社
2024/7	メタゲノムとMAG解析について	森 宙史氏 国立遺伝学研究所
2024/7	メタゲノム・MAGデータを検索する	森 宙史氏 国立遺伝学研究所
2024/8	生物画像解析で何が求められるか？-現状と動向-	塚田 祐基氏 慶應義塾大学
2024/8	生物画像解析の実践～タスクに応じた適切な手法の選択～	菅原 皓氏 理化学研究所/エルピクセル
2024/12	scRNA-seqデータを用いた細胞分類入門	飯田 溪太氏 大阪大学
2024/12	遺伝子発現解析だけではない！シングルセルデータを活かしきろう	小口 綾貴子氏 理化学研究所
2024/12	公共データベースからシングルセルRNA-seqデータを取得する	粕川 雄也氏 理化学研究所
2025/1	Hi-C解析を知る	東 光一氏 国立遺伝学研究所
2025/1	Hi-C解析を使う	東 光一氏 国立遺伝学研究所