

# AJACS

2025年度  
開催日程

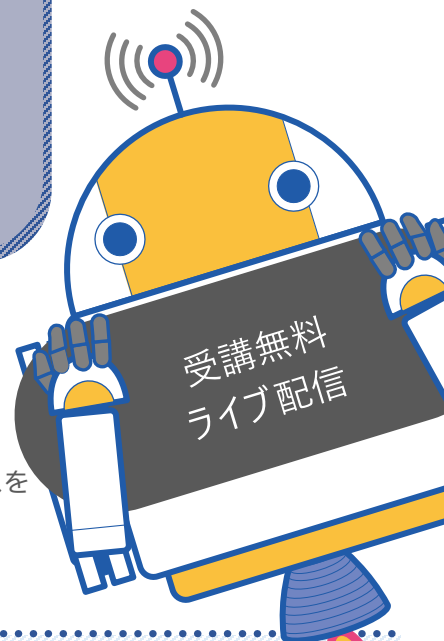


開催情報を  
メルマガで  
お知らせします



登録フォーム

データ解析講習会:AJACS(あじゃっくす)は、  
生命科学分野における解析ツール・公共データベースを  
活用する知識・技術を習得できる  
研究者向け講習会です



2025  
05.22

AlphaFold等の  
タンパク質立体構造予測ツール  
を知って・学んで・使う

講師  
(予定)

東京科学大学  
大上 雅史 氏  
東京科学大学  
古井 海里 氏

2025  
06.26

生命科学分野における  
ナレッジグラフとオントロジー  
を知って・学んで・使う

講師  
(予定)

DBCLS  
川島 秀一 氏  
DBCLS  
池田 秀也 氏  
DBCLS  
藤原 豊史 氏

2025  
11.18

科学研究を加速させる  
ChatGPT等の生成AIツール  
を知って・学んで・使う

講師  
(予定)

fuku株式会社  
山田 涼太 氏  
国立精神・神経医療研究センター  
松井 健太郎 氏

2025  
12.18

空間  
トランスクリプトーム解析  
を知って・学んで・使う

講師  
(予定)

京都大学  
VANDENBON Alexis 氏  
東京大学  
酒井 俊輔 氏

2026  
01.22

日本人ゲノムバリエーション  
解析ツール  
を知って・学んで・使う

講師  
(予定)

株式会社ゲノムアナリティクスジャパン  
八谷 剛史 氏  
DBCLS  
三橋 信孝 氏

# 過去のAJACS講義一覧 FY2022- 2024



biosciencedbc.jp  
/event/ajacs

講義の動画や投影したスライドは、すべてウェブ公開しています。  
自習、復習にお役立てください。

講義日	件名	講師
2022/7	figshareなどのデータ・図表リポジトリを使って研究データを適切に共有する	田村 啓太 広島大学
2022/7	文献管理ツールを使って研究の進展とアウトプットを加速する	 成川 礼 東京都立大学
2022/8	パスウェイデータベースを使ってゲノムを理解する	奥田 修二郎 新潟大学
2022/8	イメージングデータベースに画像を登録し、画像を活用する	糸賀 裕弥 理化学研究所
2022/11	化合物データベース PubChem、ChEMBL、ChEBI を試してみる	櫛田 達矢 理化学研究所
2022/11	メタボロームデータベースを用いて代謝を理解する	津川 裕司 東京農工大学
2022/12	ブラウザ上でRNA-seqデータを解析する	 安水 良明 大阪大学
2023/1	UCSC Genome Browserの豊富なツールを理解する	森岡 勝樹 理化学研究所
2023/1	BLAT、In-Silico PCRを使って配列を検索する/Gene Sorter を使って発現データを解析する	森岡 勝樹 理化学研究所
2023/1	Track Hubを使ってオリジナルデータと公共データを比較した図を作成する	森岡 勝樹 理化学研究所
2023/7	最新の文献検索方法を知る	山本 泰智 DBCLS
2023/7	オープンサイエンスの潮流と学術出版の多様化:プレプリントと研究データにどう向き合うか	林 和弘 NISTEP
2023/8	プロテオームデータの解析とマルチオミクスへの活用	松本 雅記 新潟大学
2023/8	メタボロームデータ解析と活用法:データベースとオンラインツールの使い方	早川 英介 理化学研究所
2023/11	オンラインツール PlotsOfData による箱ひげ図の作成	別所-上原 学 名古屋大学
2023/11	Posit Cloud (旧:RStudio Cloud) を用いて生物配列データ解析に取り組む	鈴木 治夫 慶應義塾大学
2024/6	生成AIの可能性と課題 ~賢く使いこなすために~	山田 涼太 fuku株式会社
2024/6	研究効率化の鍵は生成AI ~文献調査・資料作成を加速するサービス~	 山田 涼太 fuku株式会社
2024/7	メタゲノムとMAG解析について	森 宙史氏 国立遺伝学研究所
2024/7	メタゲノム・MAGデータを検索する	森 宙史氏 国立遺伝学研究所
2024/8	生物画像解析で何が求められるか? -現状と動向-	塚田 祐基氏 慶應義塾大学
2024/8	生物画像解析の実践~タスクに応じた適切な手法の選択~	菅原 皓氏 理化学研究所/エルピクセル
2024/12	scRNA-seqデータを用いた細胞分類入門	飯田 溪太氏 大阪大学
2024/12	遺伝子発現解析だけではない! シングルセルデータを活かしよう	小口 綾貴子氏 理化学研究所
2024/12	公共データベースからシングルセルRNA-seqデータを取得する	粕川 雄也氏 理化学研究所
2025/1	Hi-C解析を知る	東 光一氏 国立遺伝学研究所
2025/1	Hi-C解析を使う	東 光一氏 国立遺伝学研究所