

H24年度実施報告書 別紙 既公開のデータベース・ウェブツール等

| 課題名 | データベース、ウェブツール等の名称 | 概要 | URL | 公開開始日 | 関連論文 (論文リスト3-1に記載 がある場合のみ、その 番号を記載してください) | アクセス数 (H24年度分) |
|------------------------|-----------------------------------|--|---|----------------------------|--|-------------------|
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | PDB | 日米欧の3極によるwwPDBの分担による蛋白質・核酸・糖鎖などの生体高分子の立体構造データのデータバンクです。 | http://pdbj.org/ | 2002年4月頃 | | 327,330 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | PDBj Mine | PDBエントリ検索 | http://service.pdbj.org/mine/ | 2009年10月14日 | | 14,030,736 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | DB名:PDBj構造検証/登録ポータルサイ | 研究者が構造データを妥当性の検証後にPDBjに登録できるように構築した、構造検証サーバと構造登録システムへのポータルサイトです。 | http://pdbdep.protein.osaka-u.ac.jp/ | 2000年6月 | | 258,236 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | eF-site | 蛋白質の分子表面の形状と物性(静電ポテンシャルと疎水性度)及び機能部位のデータベースです。 | http://ef-site.hgc.jp/eF-site | 2000年5月(テスト版)、2002年3月(修正版) | | 88,826 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | eF-seek | PDBフォーマットのファイルを入力した、表面の類似性検索による機能部位の予測法のwebサーバです。 | http://ef-site.hgc.jp/eF-seek | 2006年3月 | | 447 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | eF-surf | 蛋白質の分子表面の形状と物性(静電ポテンシャルと疎水性度)を計算するwebサーバです。 | http://ef-site.hgc.jp/eF-surf | 2006年3月 | | 128 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | jV (PDBj Viewer) プログラム・ダウンロード・サイト | stand aloneおよびappletとしても使える、独自開発のJAVAによる分子グラフィックス・プログラムです。 | http://pdbj.org/jv/ | 2004年1月7日(ソースコードの公開) | | 9,466 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | ProMode Elastic | 弾性ネットワークモデルの基準振動解析データベース | http://promode.pdbj.org/promode_elastic/ | 2003年4月 | A-5, A-7, A-11 | 107,819 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | eProtS(蛋白質構造百科事典) | 高校生以上の学生および一般社会人に、蛋白質の構造と機能を平易に説明した百科事典です。 | http://pdbj.org/eprots/index_ja.cgi | 2003年9月 | | 394,236 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | 今月の分子(Molecule of the Month) | 高校生以上の学生および一般社会人に、日本語と英語で蛋白質の構造と機能を平易に説明した百科事典です。 | http://pdbj.org/mom/ | 2008年4月2日(日本語翻訳ページ創設) | | 438,179 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | Sequence Navigator | アミノ酸配列を入力し、PDB中に登録されているホモログ蛋白質を探索するサービスです。 | http://service.pdbj.org/seqnavix/ | 2004年9月 | | 19,192 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | Structure Navigator | 蛋白質立体構造を入力し、PDB中に登録されている類似の立体構造を持つ蛋白質を探索するサービスです。 | http://service.pdbj.org/stnavix/ | 2004年12月10日 | | 3,017 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | EM Navigator | EMDBとPDBを基にした電子顕微鏡による生体分子、細胞、組織の三次元再構成像と、それに関連したPubMed等が閲覧できます。 | http://pdbj.org/emnavi/ | 2007年5月21日 | | 5,848,932 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | GIRAF | 蛋白質のリガンド結合部位の類似局所構造を検索するサービスです。 | http://www.ipr.pdbj.org/giraf/ | 2008年12月3日 | A-2, A-3 | 5,072 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | CRNPRED | 蛋白質のアミノ酸配列から三次構造を高精度で予測するサービスです | http://crnpred.pdbj.org/ | 2009年6月10日 | | 7,282 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | Protein Globe | 各蛋白質の構造を地球儀のような球の表面にドットで表示し、類似フォールドの検索を行うサービスです。 | http://pdbj.org/globe/ | 2007年12月28日 | | 5,048 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | SeSAW | 機能未知の蛋白質構造データに対して、構造の類似性検索に基づき、局所的および大域的なアミノ酸配列の類似性も加味し、ファミリーあるいはスーパーファミリーを推定して、生化学的機能のアノテーションを行うサービスです。 | http://pdbj.org/sesaw/ | 2008年9月22日 | | 2,683 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | MAFFTash | 構造アライメントの出力を制約条件として、配列・構造統合アライメントを構築するシステムです。 | http://pdbj.org/mafftash/ | 2008年12月3日 | A-12 | 2,770 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | Spanner | Templateを指定しループ部分はfragment法によるホモジーモデルを作成するサービスです。 | http://pdbj.org/spanner/ | 2009年8月9日 | A-1 | 3,883 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | SFAS | アミノ酸配列を入力し、パイプラインによってホモジーモデルを構築して機能を推定するサービスです。 | http://pdbj.org/sfas/ | 2009年8月6日 | A-4, A-6, A-14 | 4,695 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | SEALA | 配列と立体構造の両方を考慮して類似している分子を検索するサービス | http://pdbj.org/seala/ | 2010年7月21日 | | |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | ASH (GASH / RASH) | 三次元構造アライメントを行うプログラム | http://pdbj.org/gash/, http://pdbj.org/rash/ | 2003年9月11日 | | 1,957 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | 万見 (Yorodumi) | 3次元構造とメタ情報を簡単にプラウズするためのツール | http://pdbj.org/emnavi/viewtop.php | 2009年7月 | | 7,546,702 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | wwPDB/RDF | Resource Description Framework(RDF)形式で書かれたPDBデータを提供するサービス | http://rdf.wwpdb.org/ | 2012年10月4日 | A-13 | 1,797,569 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | 新ウェブインターフェース | 配置のカスタマイズなどができる新型ウェブインターフェース | http://ipr.pdbj.org/newweb/ | 2013年3月29日(β版公開日) | | |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | BMRB | 本DBには、ADIT-NMR, SMSDepにより登録された生体高分子のNMR実験データを公開しています。データの検索、各データエントリーからPDBなど他のデータベースへのリンク、データ可視化サイトより構成されています。 | http://bmrb.protein.osaka-u.ac.jp/ | 2011年4月 | B-3 | 5,961,707 |

| 課題名 | データベース、ウェブツール等の名称 | 概要 | URL | 公開開始日 | 関連論文 (論文リスト3-1に記載 がある場合のみ、その 番号を記載してください) | アクセス数 (H24年度分) |
|------------------------|-------------------|---|---|-----------|--|-------------------|
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | ADIT-NMR | タンパク質、核酸、糖鎖といった生体高分子に関するNMR実験情報をBMRBに登録するウェブツールです。 | http://nmradit.protein.osaka-u.ac.jp/bmrb-adit/ | 2011年4月 | | |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | SMSDep | 生体高分子として、特に低分子化合物に関するNMR実験情報をBMRBに登録するウェブツールです。アミノ酸配列数24残基以内の短いペプチドなどPDBの登録条件に該当しない高分子化合物が登録対象と | http://smsdep.protein.osaka-u.ac.jp/bmrb-adit/ | 2011年4月1日 | | |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | PDBj-BMRBポータル | BMRBへのデータ登録を目的とした、マニュアルや各種ツール、検索機能を提供するポータルサイトです。 | http://bmrbdep.protein.osaka-u.ac.jp/ | 2013年1月 | | 14,783 |
| 蛋白質構造データバンクの国際的な構築と統合化 | NMR Tool Box | PDBj-BMRBが独自に開発したスタンダロンの解析・データベース登録支援ツールの紹介、ダウンロードサービス | http://bmrbdep.protein.osaka-u.ac.jp/en/nmrtoolbox | 2012年6月 | B-3 | |